「遺伝子組換え生物等の第二種使用等のうち産業上の使用等に当たって執るべき拡散防止措置等を定める省令別表第一号の規定に基づき経済産業大臣が定めるGILS P遺伝子組換え微生物(GILSP告示)」の改正について

1. GILSP告示の改正について

- GILSP告示に掲載されている遺伝子組換え微生物を産業利用二種省令に定められた拡散防止措置を執って使用する場合にあっては、拡散防止措置に係る大臣確認申請が不要となる。
- このため、経済産業省では、使用者自身による管理への移行による規制緩和の観点から、新たな科学的知見の蓄積と厳格な安全性確認手続きを踏まえて、毎年GILSP告示の見直しを行っているところ。

2. GILSP告示改正原案の検討

- GILSP告示の改正は、「GILSP告示原案作成のための作業方針」(資料 2 参照)に基づき見直し作業を行っている。主な作業手順は以下のとおり。
- ① 拡散防止措置に係る大臣確認書の受領を確認する際に、GILSP告示への掲載希望を併せて確認(なお、カテゴリー1区分、植物、動物は対象外)。
- ② 申請者からGILSP告示への掲載希望があった遺伝子組換え生物等についてア 宿主及びベクター、イ 挿入DNAをそれぞれ取り纏め、上記作業方針に則してGILSP告示改正原案を作成するようNITEに検討を依頼。
- ③ 以下の2点について、「作業方針」に基づき、GILSP告示原案作成委員会での 審議も踏まえ、NITEにて改正原案を作成、経済産業省に報告。

<告示改正検討事項>

- 1) 掲載希望があった宿主・ベクター及び挿入DNAの安全性に関する検討
- 2) GILSP告示に既に掲載されている宿主・ベクター及び挿入DNAの再評価 ※掲載基準(安全性確認基準)、記載ルールについては、「作業方針」に規定。
- ④ バイオ利用評価ワーキンググループで改正案を審議、確認。
- ⑤ 告示改正(官報掲載)

3. 改正案の概要

- (1) GILS Pリストの記載方法の見直し
- 別表第二の挿入DNA欄の表記について、以下のとおり改正する。
- ① 遺伝子名および由来生物名の表記に関し、これまで和文表記を上段に、欧文表記を 下段に記載していたものについては、今次改正後は、欧文表記を上段に、和文表記を 下段に記載する。
- ② 挿入 D N A の説明句は、これまで表記方法が定まっていなかったため、今後は下段の和文表記の右隣に括弧で記載する。
- ③『蛋白質』は『タンパク質』に改める。
 - ①~③例示は以下のとおり。

新	旧
Aequorin	エクオリン
エクオリン (発光タンパク質)	Aequorin / 発光蛋白質

④ 上段と下段に同一の名称が表記されていたものについては、上段に欧文表記、下段に 和文表記を記載するよう改め、適当な和文表記がないものについては、下段には何も 記載しないよう改める。

新	旧
Cystatin C	Cystatin C
シスタチン C	Cystatin C
orf206b	orf206b
	orf206b

⑤ 部分配列(シグナルペプチドを含む)等、挿入DNAの遺伝子を限定するための条件は、上段の欧文表記の右隣に記載する。また、アミノ酸配列の位置等の表記方法を統一する。

新	旧
Capsid protein, partial (amino	キャプシドタンパク質の部分配列(118-
acids positions 118-233)	233 アミノ酸配列)
キャプシドタンパク質の部分配列	Capsid protein
Sequestosome 1 / p62, partial	セクエストソーム 1/p62 (N端側102
(amino acids positions 1-102)	アミノ酸)
セクエストソーム 1/p62 の部分配列	Sequestosome 1/p62

- (2) 注釈(1)の見直し(変更箇所は下線部)
- 生物名等の表記の出典に関する情報を以下のように改める。

新	旧
(1) 別表第一及び第二の宿主、由来生	(1) 別表第一左欄の宿主及び別表第二
物及び挿入DNAの表記は、UniProt	右欄の由来生物の表記は、慣用名、日
等生物学分野の公共データベース及び専	本産菌類集覧(日本菌学会関東支
門学会等が推奨する文献情報を参照して	部)、別表第二左欄の挿入DNAの表
<u>いる。</u>	記は、生化学辞典第4版(東京化学同
	人)を基本としている。

(3) 注釈(3)の見直し(変更箇所は下線部)

● Aspergillus oryzae、Corynebacterium glutamicum、Geobacillus stear othermophilus、Saccharomyces cerevisiae 及び Schizosaccharomyce s pombe については、安全に長期間利用されてきた実績があることから、株の違いを問わず別表第一に記載されている宿主とすることを認めてきたが、これらについても病原性及び毒素産生性がないことを条件とすべきとの判断から、以下のように改める。

新	IB
(3) 別表第一の宿主のうち株名の記載が	(3)宿主の Aspergillus oryzae、Cory
ないものは株の違いを問わないものとし、ま	nebacterium glutamicum. Geobac
た「Bacillus subtilis Marburg 168	illus stearothermophilus. Sacchar
及びその由来株」、「Escherichia coli	omyces cerevisiae 及び Schizosac
B 及びその由来株」及び「Escherichia	charomyces pombe については、安
coli K12 及びその由来株」も含め、いず	全に長期間利用されてきた実績があること
れも病原性及び毒素産生性のない株に限	から、株の違いを問わず別表第一に記載さ
るものとする。	れている宿主とする。また、Bacillus subt
	<u>ilis Marburg 168 の由来株、Escheri</u>
	<u>chia coli B の由来株及び Escherich</u>
	<u>ia coli K12 の由来株については、</u> 病原
	性及び毒素産生性のない株に限るものと
	する。

(4) 別表第一への新規掲載

● 新規掲載希望のあった宿主及びベクターのうち、現在公表されている論文やデータベース等の文献では、ヒト及び動植物に対する病原性や生理活性等に関する報告等がないことが、GILSP告示原案作成委員会での専門家による審議も経て確認された22件の追加を行う。

*は掲載済みの宿主を示す

宿主	ベクター
Komagataella phaffii NBRC 0948	pHSG298 (←pBR322)
(Komagataella pastoris NBRC	pHSG299 (←pBR322)
0948)	pUC18
0940)	pUC19
Komagataella pastoris NBRC 1013	pHSG298 (←pBR322)
	pHSG299 (←pBR322)
	pUC18
	pUC19
Komagataella pastoris NBRC	pHSG298 (←pBR322)
10777	pHSG299 (←pBR322)
	pUC18
	pUC19
Trichoderma reesei 93G3	pBluescript II SK(+) (←pBluescri
	pt SK(+))
	pT7Blue (←pUC19)

	pUC118
Streptomyces pulveraceus M02-1	pIJ702 (←pIJ101)
Escherichia coli B 及びその由来株*	pET-3d (←pBR322)
	pETcoco-2 (←pBeloBAC11, RK2)
	pETDuet-1 (←pBR322)
Escherichia coli K12 及びその由来株*	pBI121 (←pBIN19)
	pBI-sense, anti sense-GW (←
	pBI121)
	pGEX-4T-1 (←pBR322)

(5) GILS Pリスト掲載済み宿主、ベクター再評価

● 宿主の学名の表記を最新の名称に更新する。

新	旧
Komagataella phaffii GS115	Komagataella pastoris GS115
(Komagataella pastoris GS115,	(Pichia pastoris GS115)
Pichia pastoris GS115)	
Komagataella phaffii KM71	Komagataella pastoris KM71
(Komagataella pastoris KM71,	(Pichia pastoris KM71)
Pichia pastoris KM71)	

(6) 別表第一掲載宿主の一部について株名の記載を削除

別表第一に掲載されている宿主のうち、Brevibacillus choshinensis、Komagat aella pastoris 及び Komagataella phaffii については、株の違いを問わず別表第一に記載されている宿主とすべく、個々の株名の記載を削除する。(なお、上記(3)のとおり、病原性及び毒素産生性のない株に限られる。)

(7) 別表第二への新規掲載

● 新規掲載希望のあった挿入 D N A のうち、現在公表されている論文やデータベース等の文献では、ヒト及び動植物に対する病原性や生理活性等に関する報告等がないことが、G I L S P 告示原案作成委員会での専門家による審議も経て確認された 9 件の追加を行う。

[酵素]

挿入DNA	由来生物
β-Glucosidase(3.2.1.21) β-グルコシダーゼ(<i>aabgl1</i>)	Aspergillus aculeatus
FR901379 Acylase (3.5.1) アシラーゼ	Streptomyces sp. no. 6907

「機能性タンパク質、ペプチド]

挿入DNA	由来生物
DNA polymerase sliding clamp (Proliferating cell nuclear antigen homolog) スライディングクランプ (PCNA)	Methanocaldococcus jannaschii
HLA-A*33:03	ヒト

主要組織適合性抗原 A*33:03	
HLA-DRA1*01:01	ヒト
主要組織適合性抗原 DRA1*01:01	
HLA-DRB1*01:01 主要組織適合性	ヒト
抗原	
DRB1*01:01	
HLA-DRB1*04:05	ヒト
主要組織適合性抗原 DRB1*04:05	

[マーカー]

挿入DNA	由来生物
	Pseudomonas aeruginosa
(2.3.1.60)	
ゲンタマイシン耐性遺伝子 AAC(3)-1	

[タグ]

挿入DNA	由来生物
Avitag	化学合成
(BAP 配列)	

(8) GILS Pリスト掲載済み挿入DNAの再評価

● 由来生物の学名、並びに挿入DNAの酵素番号を最新の情報に更新する。また、 挿入DNAについて、該当する遺伝子を明確に示す名称に改める。類似挿入DN Aは統一化した名称に改める。

① 由来生物の学名の表記を最新の名称に更新する。

新	旧
Mycobacterium vaccae	Mycolicibacterium vaccae
(Mycolicibacterium vaccae)	(Mycobacterium vaccae)
Mesomycoplasma hyopneumoniae	Mycoplasma hyopneumoniae
(Mycoplasma hyopneumoniae)	
Planococcus okeanokoites	Planomicrobium okeanokoites
(Flavobacterium okeanokoites,	(Flavobacterium okeanokoites)
Planomicrobium okeanokoites)	

② 挿入DNAの酵素番号を最新の番号に更新する。

新	旧
NADH dehydrogenase [quinone] (1.6.5.9)	NADH dehydrogenase [quinone] (1.6.5.11)
NADH デヒドロゲナーゼ [キノン]	NADH デヒドロゲナーゼ [キノン]
Ribonuclease T_1 (4.6.1.24) リボヌクレアーゼ T_1	Ribonuclease T_1 (3.1.27.3) リボヌクレアーゼ T_1

③ 挿入DNAの遺伝子を限定すべく、以下のとおり改める。

新	旧
Transketolase <u>1 (</u> 2.2.1.1) トランスケトラーゼ (<i>tktA</i>)	Transketolase (2.2.1.1) トランスケトラーゼ(<i>tktA</i>)
Ubiquitin activating enzyme <u>E1</u> (6.2.1.45) ユビキチン活性化酵素 (UBE1)	Ubiquitin activating enzyme ユビキチン活性化酵素 (UBE1)
Ubiquitin-conjugating enzyme <u>E2</u> <u>N (2.3.2.23)</u> ユビキチン結合酵素 (UBE2N)	Ubiquitin-conjugating enzyme ユビキチン結合酵素 (UBE2N)
Ubiquitin-conjugating enzyme <u>E2</u> variant 1a ユビキチン結合酵素 (UEV1a)	Ubiquitin-conjugating enzyme variant 1a ユビキチン結合酵素 (UEV1a)
E3 ubiquitin-protein ligase MYLIP (2.3.2.27) RING型E3ユビキチンリガーゼ (MYLIP)	RING type E3 ubiquitin ligase RING 型 E3 ユビキチンリガーゼ
Fc-gamma RI, partial (13-288 アミノ酸配列) Fcy受容体 I(FcyRI)の部分配列(可溶性領域)	<u>FcγRI</u> Fcγ受容体 I <u>の可溶性領域</u>
Fc-gamma RIIIa, partial (16-192 アミノ酸配列) Fcy受容体 IIIA(FcyRIIIA)の部分配列 (可溶性領域)	<u>FcγRIIIA</u> Fcγ受容体 IIIA <u>の可溶性領域</u>
Fibronectin ,partial (1450-1543 アミノ酸配列) フィブロネクチンの部分配列 (細胞接着ドメイン)	Fibronectin / 細胞接着基質蛋白質 フィブロネクチンの細胞接着ドメイン
37S ribosomal protein MRP17, mitochondrial MRP17 遺伝子(ミトコンドリアリボソーム 小サブユニット)	Mitochondrial ribosomal protein / ミトコンドリアリボソーム小サブユニット MRP17 遺伝子(ミトコンドリアリボソーム 小サブユニット)
Tyrosine-protein kinase LynA, partial (1-19 アミノ酸配列) チロシンキナーゼ LynA 由来の部分配列 (形質膜移行シグナル)	Tyrosine kinase LynA <u>signal</u> <u>sequence</u> チロシンキナーゼ LynA 由来の <u>シグナル配</u> 列

④ 類似挿入DNAの記載を統一化するため、挿入DNA名を以下のとおり改める。

新	IΒ
Endonuclease Cas9 (3.1)	Cas9
<u>エンドヌクレアーゼ</u> Cas9	Cas9
Proline-4-hydroxylase (1.14.11.1)	Proline hydroxylase
L-プロリン 4 位水酸化酵素	L-プロリン 4 位水酸化酵素

	1
L-proline cis-4-hydroxylase	L-proline cis-4-hydroxylase
<u>(1.14.11.56)</u>	L-プロリン 4 位 cis 水酸化酵素
L-プロリン 4 位 cis 水酸化酵素	
ATP binding cassette subfamily B	Bile salt export pump
member 11 (Bsep)	Bsep
ABC トランスポーター (Abcb11)	
ATP binding cassette subfamily B	Bile salt export pump
member 11 (BSEP)	BSEP
ABC トランスポーター (ABCB11)	
ATP binding cassette subfamily G	Breast cancer resistance protein
member 2 (BCRP)	BCRP
ABC トランスポーター (<i>ABCG2</i>)	25
ATP binding cassette subfamily G	Breast cancer resistance protein
member 2 (Bcrp)	Bcrp
ABC トランスポーター (Abcg2)	Бегр
Collagen alpha-1(V) chain	Collagen / コラーゲン V 型
Type V コラーゲン	コラーゲンタイプ V 型a1鎖
DNA polymerase sliding clamp 1	DNA polymerase sliding clamp 1
(Proliferating cell nuclear antigen	(Proliferating cell nuclear antigen
homolog 1, PCNA 1)	homolog 1, PCNA 1)
	*
スライディングクランプ(PCNA1)	PCNA1 (スライディングクランプ)
MHC class I-related protein 1	MHC class I-related protein 1
主要組織適合抗原クラス I 関連分子	MR1
MR1	Madridana
ATP binding cassette subfamily C	Multidrug resistance-associated
member 1 (Mrp1)	protein 1
<u>ABC トランスポーター (</u> ABCC1)	Mrp1
ATP binding cassette subfamily C	Multidrug resistance-associated
member 1 (MRP1)	protein 1
ABC トランスポーター (ABCC1)	MRP1
ATP binding cassette subfamily C	Multidrug resistance-associated
member 2 (Mrp2)	protein 2
ABC トランスポーター (<i>Abcc2</i>)	Mrp2
ATP binding cassette subfamily C	Multidrug resistance-associated
member 2 (MRP2)	protein 2
ABC トランスポーター (ABCC2)	MRP2
ATP binding cassette subfamily C	Multidrug resistance-associated
member 3 (MRP3)	protein 3
Merriber 3 (MRF3)	MRP3
ATP binding cassette subfamily C	Multidrug resistance-associated
member 4 (MRP4)	protein 4
ABC トランスポーター (ABCC4)	MRP4
ATP binding cassette subfamily C	Multidrug resistance-associated
member 4 (Mrp4)	protein 4
<u>ABC トランスポーター (<i>Abcc4</i>)</u>	Mrp4

ATP binding cassette subfamily C	Multidrug resistance-associated
member 11 (MRP8)	protein 8
ABC トランスポーター (ABCC11)	MRP8
ATP binding cassette subfamily B	Multiple drug resistance 1
member 1 (MDR1)	MDR1
<u> </u>	MDKI
ABCトランスポーター (ABCB1)	Multiple dans appiators of a
ATP binding cassette subfamily B	Multiple drug resistance 1a
member 1A (Mdr1a)	Mdr1a
ABC トランスポーター (Abcb1a)	
ATP binding cassette subfamily B	Multiple drug resistance 1b
member 1B (Mdr1b)	Mdr1b
ABC トランスポーター (Abcb1b)	
Proliferating cell nuclear antigen	Proliferating cell nuclear antigen
(PCNA)	增殖細胞核抗原(PCNA)
増殖細胞核抗原(PCNA)	
Temperature-sensitive cI-	Temperature-sensitive cI-
repressor	repressor
温度感受性リプレッサーcI857	cI857 タンパク質
Transcriptional activator gene	Transcriptional activator gene
(nprA)	(nprA)
転写活性化因子	転写活性因子
Collagen alpha-1(VII) chain	Type VII collagen
Type VII コラーゲン	Type VII コラーゲン (Type VII
Type vii ii j	collagen)
Aspergillopepsin I (apnS) signal	apnS signal peptide
peptide	酸性プロテアーゼ(apnS) のシグナルペ
peptide 酸性プロテアーゼ(apnS) のシグナルペ	酸性プロテナーと(apris) のファナル・、 プチド
	771
TFF retention signal (UDF)	LIDEL legalization signal postido
ER-retention signal (HDEL	HDEL localization signal peptide
sequence)	HDEL <u>局在化シグナルペプチド</u>
小胞体残留シグナル HDEL	
Surface layer protein (HWP)	HWP signal sequence
signal_peptide_	HWP のシグナル配列
HWP のシグナル配列	
Staphylococcal protein A signal	Protein A signal <u>sequence</u>
<u>peptide</u>	プロテイン A のシグナル配列
プロテイン A のシグナル配列	
Inositol phosphorylceramide (IPC)	Aureobasidin A resistance gene /
synthase catalytic subunit AUR1	Inositol phosphorylceramide (IPC)
オーレオバシジン Α 耐性遺伝子	synthase
<u>(aur1)</u>	<u>aur1</u> 遺伝子(オーレオバシジン A 耐性
	遺伝子)
Blasticidin S deaminase	Blasticidin S deaminase
ブラストサイジン S 耐性遺伝子	ブラストサイジン S デアミナーゼ
β-Galactosidase	β-Galactosidase
L 20.000.000	P = 0.0000.0000

X-gal 呈色マーカー(lacZ)	lacZ
β-Galactosidase	β-Galactosidase
X-gal 呈色マーカー(lacZ' <u>)</u>	lacZ'
Hygromycin B phosphotransferase ハイグロマイシン B 耐性遺伝子	Hygromycin B phosphotransferase ハイグロマイシン B ホスホトランスフェラーゼ
Orotidine-5'-phosphate	Orotidine-5'-phosphate
decarboxylase (URA3)	decarboxylase
ウラシル合成遺伝子(ウラシル要求性マー	ウラシル要求性遺伝子(URA3)
<u>カー)</u>	
Heparin binding domain of	Fibronectin / 細胞接着基質蛋白質の
fibronectin	ヘパリン結合ドメイン
ヘパリン結合ドメインポリペプチドの構造遺	ヘパリン結合ドメインポリペプチドの構造遺
伝子	伝子

/以上