〇経済産業省告示第

号

遺伝子 組換え生物等の第二種使用等のうち産業上の使用等に当たって執るべき拡散防止措置等を定める省令(平成十六年財務省、

厚生労働

(案)

省、 農林 水 産 省、 経済産業省、 環境省令第一号) 別表第一号の規定に基づき、 遺伝子組換え生物等の 第二種使用等のうち産業上 一の使 用等に当

たって執るべき拡散防止措置等を定める省令別表第一号の規定に基づき経済産業大臣が定めるGILSP遺伝子組換え微生物 (平成十六年経

済産業省告示第十三号) \mathcal{O} 部を次のように改正し、 令和 年

令和

年

月

日

月

日から施行する。

経済産業大臣 名

別表第二を次のように改める。

別表第二 挿入DNA

別表第二	-
挿入 D N A	由来
(1)酵素	
Acetamidase (3.5.1.4)	Aspergillus nidulans
アセトアミダーゼ (amdS)	
Acetoacetate decarboxylase (4.1.1.4)	Clostridium acetobutylicum
アセト酢酸デカルボキシラーゼ (<i>adc</i>)	
Acetolactate synthase (2.2.1.6)	イネ
アセト乳酸シンターゼ (<i>ALS</i>)	
Acetolactate synthase (2.2.1.6)	シロイヌナズナ
アセト乳酸シンターゼ (<i>ALS</i>)	
EndoN-acetylgalactosaminidase (3.2.1.97)	Bifidobacterium longum
エンド <i>N-</i> アセチルガラクトサミニダーゼ	
N-Acetylglucosamine 2-epimerase (5.1.3.8)	Synechocystis sp. PCC 6803
N-アセチルグルコサミン 2-エピメラーゼ	
EndoN-acetylglucosaminidase (3.2.1.96)	: Coprinopsis cinerea
エンド <i>N</i> -アセチルグルコサミニダーゼ (Endo-CC)	ウシグソヒトヨタケ
Endo <i>N</i> -acetylglucosaminidase (3.2.1.96)	Mucor hiemalis
エンド <i>N</i> -アセチルグルコサミニダーゼ (Endo-M)	
N-Acetylglucosaminyltransferase (2.4.1.101, 2.4.1.102,	Neisseria polysaccharea
2.4.1.138, 2.4.1.143, 2.4.1.144, 2.4.1.145, 2.4.1.150)	Notice in perfectional ou
N-アセチルグルコサミニルトランスフェラーゼ (GlcNAc	
Tase)	
N-Acetylneuraminic acid aldolase (4.1.3.3)	Escherichia coli
N-アセチルノイラミン酸アルドラーゼ	Escriencina con
O-Acetyltransferase (2.3.1)	Salmonella enterica subsp. enterica (Salmonella Typhimurium)
O-アセチルトランスフェラーゼ	Gaimonena enterica subsp. enterica (Gaimonena Typniniunum)
Acid phosphatase (3.1.3.2)	Shigella flexneri
酸性ホスファターゼ (<i>phoN1</i>)	Ongena hexhen
Acyl-CoA oxidase (1.3.3.6)	Paenarthrobacter ureafaciens (Arthrobacter ureafaciens)
アシルCoAオキシダーゼ	, aeriar in obacter dreataciens (Artinobacter dreataciens)
Acyl-CoA synthetase	Pseudomonas fragi
アシルCoAシンテターゼ	r seudomonas magi
N-Acylglucosamine 2-epimerase (5.1.3.8)	ブタ
N-アシルグルコサミン 2-エピメラーゼ	
S-adenosyl-L-homocysteine hydrolase (3.3.1.1)	Sacharamyon caravisia
	Saccharomyces cerevisiae
S-アデノシル-L-ホモシステイン加水分解酵素 (sahH)	Puranagara furingua
ADP-specific glucose/glucosamine kinase (2.7.1.147) ヘキソキナーゼ	Pyrococcus furiosus
	Positiva subtitio
Alanine dehydrogenase (1.4.1.1)	Bacillus subtilis
アラニンデヒドロゲナーゼ (ald)	Contractification of a small flow (Booth and a small flow)
Alanine dehydrogenase (1.4.1.1)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
アラニンデヒドロゲナーゼ (AlaDH)	
Alanine dehydrogenase (1.4.1.1)	:Klebsiella aerogenes (Enterobacter aerogenes)
アラニンデヒドロゲナーゼ	
Alanine racemase (5.1.1.1)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
アラニンラセマーゼ	
Alcohol dehydrogenase (1.1.1.1)	Zymomonas mobilis
アルコールデヒドロゲナーゼ (adhB)	<u>;</u>
Alkaline phosphatase (3.1.3.1)	Bacillus badius

アルカリホスファターゼ	
Alkaline phosphatase (3.1.3.1)	Escherichia coli
アルカリホスファターゼ	
Alkaline phosphatase (3.1.3.1)	Shewanella sp. T3-3
アルカリホスファターゼ (phoA)	
Alkaline protease (3.4.21.62)	: Bacillus sp. KSM-KP-43
アルカリプロテアーゼ	Saamaa op. Nom Ni
-Amidating enzyme (1.14.17.3)	Xenopus laevis
-アミデイティング エンザイム	アフリカツメガエル
Amine oxidase (1.4.3.4, 1.4.3.21, 1.4.3.22)	Aspergillus oryzae
アミンオキシダーゼ	h topol g.mac or y = ac
-Amino acid ester acyl transferase	Sphingobacterium siyangense
アミノ酸エステルアシルトランスフェラーゼ(aet)	i i i i i i i i i i i i i i i i i i i
D-Amino-acid oxidase (1.4.3.3)	Candida boidinii
D-アミノ酸オキシダーゼ	
D-Amino-acid oxidase (1.4.3.3)	Fusarium equiseti
D-アミノ酸オキシダーゼ (DAO)	7
D-Amino-acid oxidase (1.4.3.3)	; :ブタ
D-アミノ酸オキシダーゼ	
D-Aminoacylase (3.5.1.14)	Achromobacter xylosoxidans
D-アミノアシラーゼ	
D-Aminoacylase (3.5.1.14)	Aquamicrobium lusatiense (Defluvibacter lusatiensis)
D-アミノアシラーゼ	,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,
Aminoglycoside phosphotransferase (2.7.1)	Escherichia coli
アミノグリコシドホスホトランスフェラーゼ	
Aminopeptidase T (3.4.11)	Thermus aquaticus
アミノペプチダーゼT	
-Amylase (3.2.1.1)	Bacillus licheniformis
-アミラーゼ (amyL)	
-Amylase (3.2.1.1)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
-アミラーゼ (<i>amyW</i>)	
-Amylase (3.2.1.1)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
-アミラーゼ	
-Amylase (3.2.1.1)	L F
-アミラーゼ	
-Amylase (3.2.1.2)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
マルトース生成アミラーゼ (<i>amyM</i>)	
Amylomaltase (2.4.1.25)	Thermus aquaticus
アミロマルターゼ(malQ)	
Arginase I (3.5.3.1)	L L
アルギナーゼ।	
Aspartate ammonia-lyase (4.3.1.1)	Corynebacterium glutamicum (Brevibacterium flavum)
アスパルターゼ	
Aspartate ammonia-lyase (4.3.1.1)	Escherichia coli
アスパルターゼ(aspA)	
Benzoylformate decarboxylase (4.1.1.7)	Pseudomonas putida
ベンゾイルギ酸デカルボキシラーゼ(<i>mdlC</i>)	
Bilirubin oxidase (1.3.3.5)	Bacillus subtilis
ビリルビンオキシダーゼ	
Bisphosphoglycerate mutase (5.4.2.4)	L F

ビスホスホグリセリン酸ムターゼ	:
Blood coagulation factor X (3.4.21.6)	<u></u> ヒト
血液凝固 因子 (FX) (<i>F10</i>)	
D- <i>N</i> -Carbamoylase (3.5.1.77)	Shinella sp. AJ11199
D-カルバモイラーゼ	1
Carbonyl reductase (1.1.1)	Torulaspora delbrueckii
カルボニルレダクターゼ	i Tordiaspora delibracenti
Carbonyl reductase (1.1.1.36)	Cupriavidus necator
カルボニルレダクターゼ	- Capriavidad ricoator
Carbonyl reductase (1.1.1.212)	Geobacillus stearothermophilus
カルボニルレダクターゼ	
Carboxylate reductase (1.2.99.6)	Gordonia effusa
カルボン酸レダクターゼ (acar)	Cordonia ciriasa
Carboxylesterase (3.1.1.1)	Arthrobacter ramosus
カルボキシルエステラーゼ(ear)	in this bacter rames as
Carboxylesterase (3.1.1.1)	Aspergillus flavus
カルボキシルエステラーゼ	i i
Catalase (1.11.1.6)	Aspergillus niger
カタラーゼ	
Catalase (1.11.1.6)	Escherichia coli
カタラーゼ	
Catalase (1.11.1.6)	Talaromyces pinophilus (Penicillium pinophilum)
カタラーゼ	
Cellulase (3.2.1.4)	Humicola insolens
セルラーゼ(NCEX)	
Cellulase (3.2.1.4)	Trichoderma viride (Hypocrea rufa)
セルラーゼ (sce3)	
Cholesterol dehydrogenase (1.1.1.145/5.3.3.1)	Nocardia asteroides
コレステロールデヒドロゲナーゼ	
Cholesterol esterase (3.1.1.13)	Xanthomonas sp. No.81-13
コレステロールエステラーゼ	
Cholesterol oxidase (1.1.3.6)	Brevibacterium sterolicum
コレステロールオキシダーゼ	
Cholesterol oxidase (1.1.3.6)	Chromobacterium sp. DS-1
コレステロールオキシダーゼ	
Cholesterol oxidase (1.1.3.6)	Corynebacterium cholesterolicum
コレステロールオキシダーゼ	
Cholesterol oxidase (1.1.3.6)	Pseudomonas sp. ST-200
コレステロールオキシダーゼ	
Cholesterol oxidase (1.1.3.6/5.3.3.1)	Rhodococcus erythropolis
コレステロールオキシダーゼ	
Cholesterol oxidase (1.1.3.6)	Rhodococcus equi (Rhodococcus hoagii)
コレステロールオキシダーゼ	
Cholesterol oxidase (1.1.3.6)	Streptomyces albulus
コレステロールオキシダーゼ	
Cholesterol oxidase (1.1.3.6)	Streptomyces aspergilloides
コレステロールオキシダーゼ	
Choline kinase (2.7.1.32)	Saccharomyces cerevisiae
コリンキナーゼ	
Choline oxidase (1.1.3.17)	Arthrobacter globiformis

コリンオキシダーゼ (COD)	;
Choline oxidase (1.1.3.17)	Saccharomonospora glauca
コリンオキシダーゼ (COD)	Saccharomonospora giauca
Choline-phosphate cytidylyltransferase (2.7.7.15)	Saccharomyces cerevisiae
コリンリン酸シチジリルトランフェラーゼ	Saccharomyces cerevisiae
	Decellinia en DE4000 400 00
Chorismate mutase (5.4.99.5) コリスミ酸ムターゼ	Rosellinia sp. PF1022 432-26
	Alastiannas an I/O 05
Creatinase (3.5.3.3)	Alcaligenes sp. KS-85
クレアチナーゼ	The started was 11 400
Creatinase (3.5.3.3)	Flavobacterium sp. U-188
クレアチナーゼ	
Creatine kinase B chain, M chain (2.7.3.2)	۲ト
クレアチンキナーゼ(CKB, CKM)	<u> </u>
Creatininase (3.5.2.10)	Flavobacterium sp. U-188
クレアチニナーゼ	
Creatininase (3.5.2.10)	Pseudomonas putida
クレアチニナーゼ	
Cre recombinase	P1 phage
Cre リコンビナーゼ (<i>cre</i>)	P1 ファージ
Cyclomaltodextrinase (3.2.1.54)	Lysinibacillus sphaericus (Bacillus sphaericus)
シクロマルトデキストリナーゼ	
Cysteine dioxygenase (1.13.11.20)	ヒト
システインジオキシゲナーゼ	
Cytochrome b5	L F
シトクロム b5	
Cytochrome P450 1A1 (1.14.14.1)	۲ ۲
シトクロム P450 1A1	
Cytochrome P450 1A2 (1.14.14.1)	ヒト
シトクロム P450 1A2	
Cytochrome P450 2A6 (1.14.14.1)	۲ ۲
シトクロム P450 2A6	
Cytochrome P450 2B6 (1.14.14.1)	۲ ۲
シトクロム P450 2B6	
Cytochrome P450 2C8 (1.14.14.1)	: L L
シトクロム P450 2C8	
Cytochrome P450 2C9 (1.14.14.1)	۲ ۲
シトクロム P450 2C9	į
Cytochrome P450 2C9*1 (1.14.14.1)	Ľ ト
シトクロム P450 2C9*1	
Cytochrome P450 2C18 (1.14.14.1)	ヒト
シトクロム P450 2C18	
Cytochrome P450 2C19 (1.14.14.1)	ヒト
シトクロム P450 2C19	
Cytochrome P450 2C19*1 (1.14.14.1)	Ľŀ
シトクロム P450 2C19*1	
Cytochrome P450 2D6 (1.14.14.1)	Ľ F
シトクロム P450 2D6	
Cytochrome P450 2E1 (1.14.14.1)	
シトクロム P450 2E1	
Cytochrome P450 3A4 (1.14.14.1)	Ľ
' '	<u>.</u> .

S. L. A. E. J. D. 450.204	, ,
シトクロム P450 3A4	<u> </u>
Cytosolic aspartate aminotransferase (AST)(2.6.1.1)	ヒト
細胞質型アスパラギン酸アミノトランスフェラーゼ (GOT1)	<u> </u>
3-dehydroquinate synthase (4.2.3.4)	Escherichia coli
3-デヒドロキナ酸シンターゼ (aroB)	
3-dehydroshikimate dehydratase (4.2.1.118)	Bacillus thuringiensis
3-デヒドロシキミ酸デヒドラターゼ (asbF)	
3-deoxy-D-arabino-2-heptulosonic acid 7-phosphate synthase	Corynebacterium glutamicum
(2.5.1.54)	
3-デオキシ-D-arabino-ヘプツロソン酸 7-リン酸シンターゼ	
(DAHPシンターゼ)	
	Escherichia coli
(2.5.1.54)	
3-デオキシ-D-arabino-ヘプツロソン酸 7-リン酸シンターゼ	
(aroF)	
Diaphorase (1.6.99)	Geobacillus sp. Y4.1MC1
ジアホラーゼ	
Dihydrocoumarin hydratase (3.1.1.35)	Acinetobacter calcoaceticus
ジヒドロクマリンヒドラターゼ	
Dihydrofolate reductase (1.5.1.3)	Escherichia coli
ジヒドロ葉酸レダクターゼ	
Diol dehydrogenase (1.1.1)	Shinella zoogloeoides
ジオールデヒドロゲナーゼ	
Disulfide oxidoreductase DsbA	Escherichia coli
ジスルフィド結合形成酵素DsbA(<i>dsbA</i>)	
DNA ligase (6.5.1.1)	Escherichia coli
DNA リガーゼ	
DNA ligase (6.5.1.1)	T4 phage
T4 DNA リガーゼ	T4 ファージ
DNA methyltransferase (2.1.1.37)	マウス
DNA メチルトランスフェラーゼ(<i>Dnmt1</i>)	
DNA mismatch repair protein / DNA primase (MutS) (2.7.7)	Thermus aquaticus
DNA プライマーゼ(<i>mutS</i>)	
DNA polymerase (2.7.7.7)	Bacillus caldotenax
DNA ポリメラーゼ	
DNA polymerase (2.7.7.7)	Thermococcus kodakarensis (Pyrococcus sp. KOD1)
DNA ポリメラーゼ(耐熱性)	
DNA polymerase I (2.7.7.7)	phage
DNA ポリメラーゼ I	ラムダファージ
DNA polymerase I (2.7.7.7)	Escherichia coli
DNA ポリメラーゼ I(<i>polA</i>)	
DNA polymerase I (2.7.7.7)	Thermus aquaticus
Taq DNAポリメラーゼ I	
DNA polymerase I (2.7.7.7)	Thermus thermophilus
Tth DNAポリメラーゼ	
DNA polymerase I (2.7.7.7)	Pyrococcus furiosus
Pfu DNA ポリメラーゼ I	
DNA polymerase III subunit (2.7.7.7)	: Escherichia coli
DNA ポリメラーゼ III サブユニット	
	•

DNA polymerase III subunit (2.7.7.7)	Escherichia coli
DNA ポリメラーゼ サブユニット(dnaQ)	
DNA polymerase (2.7.7.7)	ラット
DNA ポリメラーゼ	
DNA polymerase (2.7.7.7)	년 ト
DNA ポリメラーゼ	
DNA polymerase (2.7.7.7)	ヒト
DNA ポリメラーゼ	
DNA repair protein RAD51	ヒト
Rad51 タンパク質(<i>RAD51</i>)	
DNA repair protein RAD52	L.F.
Rad52 タンパク質(<i>RAD52</i>)	
Duplex-specific nuclease	ズワイガニ
二本鎖特異的ヌクレアーゼ	
Duplex-specific nuclease	ズワイガニ
二本鎖特異的ヌクレアーゼ ZDSN M2	
Duplex-specific nuclease	タラバガニ
二本鎖特異的ヌクレアーゼ	
dUTPase (3.6.1.23)	Sulfolobus islandicus rod-shaped virus 1
dUTPase(耐熱性)	SIRV-1
Endonuclease Cas9 (3.1)	Streptococcus pyogenes
エンドヌクレアーゼ Cas9	
Endonuclease V (3.1.21.7)	Thermotoga maritima
エンドヌクレアーゼ V	
FLP recombinase	Saccharomyces cerevisiae (2 µ m plasmid)
FLP リコンビナーゼ (<i>FLP</i>)	
Formate dehydrogenase (1.17.1.9)	Mycobacterium vaccae (Mycolicibacterium vaccae)
ギ酸デヒドロゲナーゼ	
Formate dehydrogenase (1.17.1.9)	Ogataea methanolica (Pichia methanolica)
ギ酸デヒドロゲナーゼ	
Fructokinase (2.7.1.4)	Zymomonas mobilis
フルクトキナーゼ(frk)	
Fructosyl-amino acid oxidase (1.5.3)	Coniochaeta sp. NISL9330
フルクトシルペプチドオキシダーゼ	
Fructosyl-amino acid oxidase (1.5.3)	Corynebacterium sp. 2-4-1
フルクトシルアミノ酸オキシダーゼ	
Fructosyl-amino acid oxidase (1.5.3)	Fusarium fujikuroi (Gibberella fujikuroi)
フルクトシルアミノ酸オキシダーゼ	
Fructosyl-amino acid oxidase (1.5.3)	Penicillium terrenum (Eupenicillium terrenum)
フルクトシルペプチドオキシダーゼ	
-1,6- Fucosyltransferase	ヒト
-1,6-フコシルトランスフェラーゼ	
Galactokinase (2.7.1.6)	Escherichia coli
ガラクトキナーゼ (galK)	
Galactose 1-phosphate uridylyltransferase (2.7.7.10)	Escherichia coli
ガラクトース-1-リン酸ウリジリルトランスフェラーゼ (<i>galT</i>)	
-Galactosidase (3.2.1.23)	Pyrococcus furiosus
-ガラクトシダーゼ	
-1.4-Galactosyltransferase	ヒト
-1,4-ガラクトシルトランスフェラーゼ	

L	!
Endo-1,4D-glucanase (3.2.1.4)	Bacillus sp. KSM-S237
セルラーゼ	
Endo-1,4D-glucanase (3.2.1.4)	Pyrococcus horikoshii
セルラーゼ	
Endo-1,4D-glucanase (3.2.1.4)	Rhizopus oryzae (Rhizopus arrhizus)
セルラーゼ(rce1)	! !
Endo-1,4D-glucanase (3.2.1.4)	Staphylotrichum coccosporum
セルラーゼ(stce)	
Endo-1,4D-glucanase (3.2.1.4)	Talaromyces pinophilus (Penicillium pinophilum)
セルラーゼ	1 1
FR901379 Acylase (3.5.1)	Streptomyces sp. no. 6907
アシラーゼ	
GlcNAc-phosphate mutase (5.4.2.3)	Saccharomyces cerevisiae
GlcNAc-リン酸ムターゼ(<i>AGM1</i>)	
Glucokinase (2.7.1.2)	Bacillus subtilis
グルコキナーゼ(yqgR)	
Gluconate dehydratase (4.2.1.39)	Achromobacter xylosoxidans
グルコン酸デヒドラターゼ	
Glucose dehydrogenase	: :Acinetobacter baumannii
グルコースデヒドロゲナーゼ	
Glucose dehydrogenase (1.1.1.47)	Bacillus subtilis
グルコースデヒドロゲナーゼ	
Glucose dehydrogenase (1.1.1.119)	Thermoplasma volcanium
グルコースデヒドロゲナーゼ	
Glucose dehydrogenase (1.1.5.2, 1.1.5.9)	Priestia megaterium (Bacillus megaterium)
グルコースデヒドロゲナーゼ(GDH)	: House megaterium
Glucose dehydrogenase (1.1.5.9)	Botrytis cinerea (Botryotinia fuckeliana)
グルコースデヒドロゲナーゼ	Benytio omerca (Benyonma rachenana)
Glucose dehydrogenase (1.1.5.9)	Mucor circinelloides (Mucor pranii)
グルコースデヒドロゲナーゼ	indeor chemenoides (wideor praim)
Glucose dehydrogenase (pyrroloquinoline-quinone (PQQ) -	
dependent) (1.1.5.2)	Activation carcoaceticus
ピロロキノリン - キノン(PQQ)依存性グルコースデヒドロ	;
でナーゼ	
	length of the control
Glucose-1-phosphate uridylyltransferase (2.7.7.9)	Escherichia coli
グルコース-1-リン酸ウリジリルトランスフェラーゼ(<i>galU</i>)	1011
Glucose-6-phosphate dehydrogenase (1.1.1.49)	Chloroflexus aurantiacus
グルコース-6-リン酸デヒドロゲナーゼ (G6PDH)	<u> </u>
Glucose-6-phosphate dehydrogenase (1.1.1.49)	Cyanidium caldarium
グルコース-6-リン酸デヒドロゲナーゼ	イデユコゴメ
Glucose-6-phosphate dehydrogenase (1.1.1.49)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
グルコース-6-リン酸デヒドロゲナーゼ 	
Glucose-6-phosphate dehydrogenase (1.1.1.49)	Leuconostoc mesenteroides
グルコース-6-リン酸デヒドロゲナーゼ	
Glucose-6-phosphate dehydrogenase	Leuconostoc pseudomesenteroides
グルコース-6-リン酸デヒドロゲナーゼ	
-Glucosidase (3.2.1.20)	Bacillus sp. KS-108a
-グルコシダーゼ (-GLS)	
-Glucosidase (3.2.1.20)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
-グルコシダーゼ	:

-Glucosidase (3.2.1.21)	Aspergillus aculeatus
-グルコシダーゼ(aabgl)	
-Glucosidase (3.2.1.21)	Ruminococcus albus
-グルコシダーゼ(<i>bgl</i>)	
-Glucosidase (3.2.1.21)	Talaromyces cellulolyticus (Acremonium cellulolyticus)
-グルコシダーゼ(bglA)	(
-D-Glucosidase (3.2.1.21)	Thermoanaerobacter cellulolyticus
-D-グルコシダーゼ	Thermounder obdeter conditions to de
-Glucuronidase (3.2.1.31)	Escherichia coli
-グルクロニダーゼ	1
Glutamate dehydrogenase (1.4.1.4)	: Cyberlindnera jadinii (Candida utilis)
グルタミン酸デヒドロゲナーゼ	Condida utilis)
	Decudements on 422.2
Glutamate dehydrogenase (1.4.1.2) グルタミン酸デヒドロゲナーゼ	Pseudomonas sp. 433-3
	Provincimonas vasiaularis (Pasudomanas vasiaularis)
Glutamate dehydrogenase	Brevundimonas vesicularis (Pseudomonas vesicularis)
グルタミン酸デヒドロゲナーゼ	<u> </u>
Glutamate dehydrogenase (1.4.1.3)	Pyrococcus endeavori
グルタミン酸デヒドロゲナーゼ(GLDH)(gdhA)	
Glutamate dehydrogenase	Pyrococcus furiosus
グルタミン酸デヒドロゲナーゼ	
Glutamate dehydrogenase (1.4.1.3)	Thermococcus kodakarensis
グルタミン酸デヒドロゲナーゼ(GLDH)(<i>gdhA</i>)	
L-Glutamate oxidase (1.4.3.11) precursor	Streptomyces sp. X-119-6
L-グルタミン酸オキシダーゼ前駆体	
Glutaryl-7-aminocephalosporanic acid acylase (3.5.1.93)	Brevundimonas diminuta (Pseudomonas diminuta)
GL-7ACA アシラーゼ	
Glyceraldehyde 3-phosphate dehydrogenase (1.2.1.12)	マウス
グリセルアルデヒド- 3 -リン酸デヒドロゲナーゼ(<i>Gapdh</i>)	
Glycerol kinase (2.7.1.30)	Amycolatopsis sp. 307
グリセロールキナーゼ	
Glycerol kinase (2.7.1.30)	Elizabethkingia meningoseptica (Flavobacterium
	meningosepticum)
グリセロールキナーゼ	
Glycerol kinase (2.7.1.30)	Thermus thermophilus (Thermus flavus)
グリセロールキナーゼ	
Glycerol-3-phosphate dehydrogenase (1.1.1.8)	Saccharomyces cerevisiae
グリセロール-3-リン酸デヒドロゲナーゼ	
Glycerol-3-phosphate oxidase (1.1.3.21)	Enterococcus faecium
グリセロール-3-リン酸オキシダーゼ	
Glycerol-3-phosphate oxidase (1.1.3.21)	Lactococcus cremoris (Lactococcus lactis subsp. cremoris)
Lグリセロール-3-リン酸オキシダーゼ	
Glycerophosphorylcholine phosphodiesterase (3.1.4.2)	Escherichia coli
グリセロホスフォリルコリンホスフォジエステラーゼ (GPCP)	
Glycine C-acetyltransferase (2.3.1.29)	Escherichia coli
グリシン-C-アセチルトランスフェラーゼ (<i>kbl</i>)	
Glycogen phosphorylase (2.4.1.1)	Aquifex aeolicus
グリコーゲンホスホリラーゼ	
Glycogen phosphorylase (2.4.1.1)	Thermus aquaticus
グリコーゲンホスホリラーゼ	, !

Glycogen phosphorylase (2.4.1.1)	・ ジャガイモ
グリコーゲンホスホリラーゼ	
-Glycosidase I	Pyrococcus furiosus
-グリコシダーゼ	,
Hexokinase (2.7.1.1)	Kluyveromyces marxianus (Kluyveromyces flagilis)
ヘキソキナーゼ(HK)	
Hexokinase (2.7.1.1)	Rhodothermus marinus (Rhodothermus obamensis)
ヘキソキナーゼ	, '
Hexokinase	; ;Saccharomyces pastorianus
ヘキソキナーゼ	
Hexokinase (2.7.1.1)	: :Thermococcus litoralis
ヘキソキナーゼ	
Histamine dehydrogenase (1.4.99)	Rhizobium sp. 4-9
レスタミンデヒドロゲナーゼ	
Histone H3K9 methyltransferase (2.1.1.355)	Neurospora crassa
ヒストン H3K9 メチルトランスフェラーゼ (<i>dim5</i>)	
Hydantoin racemase (5.1.99.5)	Microbacterium liquefaciens
ヒダントインラセマーゼ	
D-Hydantoinase (3.5.2.2)	; ;Shinella sp. AJ11199
D-ヒダントイナーゼ	· ·
p-Hydroxybenzoate hydroxylase (1.14.13.2)	: Comamonas testosteroni
p-ヒドロキシ安息香酸ヒドロキシラーゼ(pHBH)	
p-Hydroxybenzoate hydroxylase (1.14.13.2)	Corynebacterium glutamicum
/ ρ-ヒドロキシ安息香酸ヒドロキシラーゼ	
p-Hydroxybenzoate hydroxylase (1.14.13.2)	Pseudomonas fluorescens
p-ヒドロキシ安息香酸ヒドロキシラーゼ(pHBH)	
3-Hydroxybutyrate dehydrogenase (1.1.1.30)	Alcaligenes faecalis
3-ヒドロキシ酪酸デヒドロゲナーゼ	
3-Hydroxybutyrate dehydrogenase (1.1.1.30)	Ralstonia pickettii
3-ヒドロキシ酪酸デヒドロゲナーゼ	
3-Hydroxybutyrate dehydrogenase (1.1.1.30)	: Thermus thermophilus
3-ヒドロキシ酪酸デヒドロゲナーゼ (3-HBDH)	'
Hydroxymethylglutaryl-CoA reductase (1.1.1.88)	Pseudomonas sp. 1-MV
ハイドロキシメチルグルタリルCoA レダクターゼ	
12 -Hydroxysteroid dehydrogenase (1.1.1.176)	Bacillus sp. B0865
12 -ヒドロキシステロイドデヒドロゲナーゼ	
3 -Hydroxysteroid dehydrogenase (1.1.1.50)	Comamonas testosteroni
3 -ヒドロキシステロイドデヒドロゲナーゼ	
4-Hydroxy-tetrahydrodipicolinate reductase (1.17.1.8)	Escherichia coli
リジン生合成酵素(<i>dapB</i>)	
4-Hydroxy-tetrahydrodipicolinate synthase (4.3.3.7)	Escherichia coli
リジン生合成酵素(<i>dapA</i>)	
Inorganic polyphosphate / ATP-glucomannokinase	Arthrobacter sp. KM
無機ポリリン酸 / ATP-グルコマンノキナーゼ	
Inosine 5'-monophosphate dehydrogenase (1.1.1.205)	Bacillus subtilis
イノシン 5'-ーリン酸デヒドロゲナーゼ	
Isocitrate dehydrogenase (1.1.1.41)	Acidithiobacillus thiooxidans
NAD特異的イソクエン酸デヒドロゲナーゼ(ICDH)	
Isocitrate dehydrogenase (1.1.1.41, 1.1.1.42)	: Saccharomyces cerevisiae
イソクエン酸デヒドロゲナーゼ	
	·

Isocitrate dehydrogenase (1.1.1.42)	Thermus aquaticus
イソクエン酸デヒドロゲナーゼ(ICDH)	
Isoleucine—tRNA ligase (6.1.1.5)	Escherichia coli
イソロイシンtRNAリガーゼ(<i>ileS</i>)	
Isopropanol dehydrogenase (NADP *) (1.1.1.80)	Clostridium beijerinckii
イソプロピルアルコールデヒドロゲナーゼ (adh)	Í
Keto acid dehydrogenase (1.1.1)	Enterococcus faecalis
ケト酸還元酵素	ILITICIOCOCCUS TACCATIS
Keto acid dehydrogenase (1.1.1)	Leuconostoc mesenteroides subsp. dextranicum
ケト酸還元酵素	Leavenestee mesenteroraes subsp. dextrameam
Keto acid dehydrogenase (1.1.1)	Oenococcus oeni (Leuconostoc oenos)
ケト酸還元酵素	:
-Keto ester reductase (-Keto amide reductase)	Saccharomyces cerevisiae
-ケトエステルレダクターゼ (-ケトアミドレダクターゼ)	- Caccination types defevisiae
Ketoreductase (EvaE)	Amycolatopsis orientalis
ケトレダクターゼ (<i>evaE</i>)	
L-Lactate dehydrogenase (1.1.1.27)	Bifidobacterium longum
L-乳酸デヒドロゲナーゼ	
L-Lactate dehydrogenase (1.1.1.27)	ウシ
L-乳酸デヒドロゲナーゼ	
L-Lactate dehydrogenase (1.1.1.27)	ニワトリ
L-乳酸デヒドロゲナーゼ(<i>LDHB</i>)	
B-type L-Lactate dehydrogenase (1.1.1.27)	Ľ F
B型乳酸デヒドロゲナーゼ	
D-Lactate dehydrogenase (1.1.1.28)	Bifidobacterium longum
D-乳酸デヒドロゲナーゼ(D-LDH)	
D-Lactate dehydrogenase (1.1.1.28)	Lactiplantibacillus pentosus (Lactobacillus pentosus)
D-乳酸デヒドロゲナーゼ(D-LDH)	
D-Lactate dehydrogenase (1.1.1.28)	: Limosilactobacillus fermentum (Lactobacillus fermentum)
D-乳酸デヒドロゲナーゼ	
D-Lactate dehydrogenase (1.1.1.28)	: Pediococcus acidilactici
D-乳酸デヒドロゲナーゼ(D-LDH)	
L-Lactate dehydrogenase (1.1.2.3)	Escherichia coli
NAD非依存性 L-乳酸デヒドロゲナーゼ(<i>lldD</i>)	<u> </u>
L-Lactate oxidase	Aerococcus viridans
乳酸オキシダーゼ	
L-Lactate oxidase (1.13.12.4)	Enterococcus sp. NBRC 3427
L-乳酸オキシダーゼ(<i>lox</i>)	
Leucine dehydrogenase (1.4.1.9)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
ロイシンデヒドロゲナーゼ	, , , , , , , , , , , , , , , , , , , ,
Leucine dehydrogenase (1.4.1.9)	: Thermoactinomyces intermedius
ロイシンデヒドロゲナーゼ	
Levansucrase (2.4.1.10)	Zymomonas mobilis
レバンスクラーゼ (<i>sucZE2</i>)	1 · 1 1
Lipoprotein signal peptidase (3.4.23.36)	Escherichia coli
リポタンパク質シグナルペプチダーゼ(<i>IspA</i>)	
Luciferase (1.13.12.6)	Cypridina noctiluca
ルシフェラーゼ	・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・
Luciferase (1.13.12.6)	Vargula hilgendorfii
	ı vargana imgöndörin

ルシフェラーゼ	!ウミホタル
Luciferase (1.13.12.7)	Luciola cruciata
ルシフェラーゼ	・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・
Luciferase (1.13.12.7)	Luciola lateralis
ルシフェラーゼ	ヘイケボタル
Luciferase (1.13.12.7)	Photinus pyralis
ルシフェラーゼ	北米ホタル
Luciferase (1.13.12.7)	Phrixothrix hirtus
ルシフェラーゼ	
Luciferase (1.13.12.7)	Pyrearinus termitilluminans
ルシフェラーゼ	: / ^
Luciferase (1.13.12.7)	Rhagophthalmus ohbai
ルシフェラーゼ	ー ・イリオモテボタル
Lysine decarboxylase (4.1.1.18)	Escherichia coli
リシンデカルボキシラーゼ(cadA)	
Lysine-sensitive aspartokinase III (2.7.2.4)	Escherichia coli
リジン生合成酵素 (lysC)	
Lysophospholipase (3.1.1.5)	Escherichia coli
リゾホスフォリパーゼ (LYPL)	; ; ;
Lysoplasmalogen specific phospholipase D (3.1.4.39)	Thermocrispum sp. RD004668
リゾプラズマローゲン特異的ホスフォリパーゼ D (LPLD)	, , ,
Lysozyme (3.2.1.17)	T7 phage
リゾチーム	T7 ファージ
Malate dehydrogenase (1.1.1)	: :Cyanidium caldariumb
リンゴ酸デヒドロゲナーゼ	イデユコゴメ
Malate dehydrogenase (1.1.1)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
リンゴ酸デヒドロゲナーゼ	
Malate dehydrogenase (1.1.1.37)	Thermus thermophilus (Thermus flavus)
リンゴ酸デヒドロゲナーゼ(<i>mdh</i>)	
Maleate isomerase (5.2.1.1)	Alcaligenes faecalis
マレイン酸イソメラーゼ	
Maleate isomerase (5.2.1.1)	Arthrobacter globiformis
マレイン酸イソメラーゼ	
Maltose phosphorylase (2.4.1.8)	Enterococcus hirae
マルトースホスホリラーゼ	
Mannosyl-oligosaccharide -1,2-mannosidase 1B (3.2.1.113)	Aspergillus phoenicis (Aspergillus saitoi)
-1,2-マンノシダーゼ (<i>mns1B msdS</i>)	
O-methyltransferase (2.1.1.68)	Niastella koreensis
O-メチルトランスフェラーゼ (omt)	
Mevalonate kinase (2.7.1.36)	Saccharomyces cerevisiae
メバロン酸キナーゼ	
NADH dehydrogenase [quinone] (1.6.5.9)	Priestia megaterium (Bacillus megaterium)
NADH デヒドロゲナーゼ [キノン]	
NAD ⁺ kinase (2.7.1.23)	Mycobacterium tuberculosis
NAD ⁺ キナーゼ(<i>ppnK</i>)	
NAD ⁺ pyrophosphatase / 5'-nucleotidase (3.6.1.22 / 3.1.3.5)	Haemophilus influenzae
NAD ⁺ ピロホスファターゼ / 5'-ヌクレオチダーゼ(<i>nadN</i>)	
NAD ⁺ synthetase (6.3.1.5)	Geobacillus stearothermophilus
NAD ⁺ シンテターゼ	·
NADPH-Cytochrome P450 reductase (1.6.2.4)	Saccharomyces cerevisiae
1.7.2. 11 Syloomonio 1 400 roddolaso (1.0.2.4)	- Caccanaronny oco oci oviolato

NADPH-P450 レダクターゼ	<u> </u>
Neutral protease (3.4.24.28)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・	
	Thermus thermophilus
ー ニコチンアミドモノヌクレオチドアデニリルトランスフェラー	•
ゼ (NMNAT)	
Nicotinamide mononucleotide adenylyltransferase 1	Ľ F
ー ニコチンアミドモノヌクレオチドアデニリルトランスフェラー	
ゼ (NMNAT1)	
Nicotinamide mononucleotide adenylyltransferase 2	Ľ F
ー ニコチンアミドモノヌクレオチドアデニリルトランスフェラー	
ゼ (NMNAT2)	
Nicotinamide mononucleotide adenylyltransferase 3	<u>!</u> Ľト
ー ニコチンアミドモノヌクレオチドアデニリルトランスフェラー	
ゼ (NMNAT3)	
Nitrate reductase (1.7.1.2)	: :Aspergillus niger var. macrosporus
硝酸レダクターゼ	
Nitrile hydratase , subunit (4.2.1.84)	Pseudonocardia thermophila
ニトリルヒドラターゼ(Nhase) 、 サブユニット	
Nitrile hydratase (4.2.1.84)	Rhodococcus rhodochrous
ニトリルヒドラターゼ(nhhB, nhhA)	
Nuclease S ₁ (3.1.30.1)	Aspergillus oryzae
ヌクレアーゼ S₁	
Nucleoside deoxyribosyltransferase II (2.4.2.6)	: Lactobacillus helveticus
ヌクレオシドデオキシリボシルトランスフェラーゼ II(ndt)	
Nucleoside kinase (2.7.1)	Burkholderia thailandensis
ヌクレオシドキナーゼ(<i>BTH_I1158</i>)	
(R)-2-octanol dehydrogenase (1.1.1.1)	Ogataea wickerhamii (Pichia finlandica)
(R)-2-オクタノールデヒドロゲナーゼ	
Ornithine decarboxylase (4.1.1.17)	マウス
オルニチンデカルボキシラーゼ	
Orotidine-5'-phosphate decarboxylase (4.1.1.23)	Neurospora crassa
オロチジン-5'-リン酸デカルボキシラーゼ	
Oxalate decarboxylase (4.1.1.2)	Bacillus subtilis
シュウ酸デカルボキシラーゼ	
Oxaloacetate decarboxylase (4.1.1.112, 7.2.4.2)	Pseudomonas sp. 7847A4
オキサロ酢酸デカルボキシラーゼ(<i>oac</i>)	
Peroxidase C1A (1.11.1.7)	セイヨウワサビ
ペルオキシダーゼC1A	
Phenylalanine dehydrogenase (PheDH) (1.4.1.20)	Thermoactinomyces intermedius
フェニルアラニンデヒドロゲナーゼ	
Phosphoenolpyruvate carboxylase (4.1.1.31)	Komagataeibacter hansenii (Acetobacter hansenii,
	Gluconacetobacter hansenii)
ホスホエノールピルビン酸カルボキシラーゼ	
Phosphoenolpyruvate synthase (2.7.9.2)	Escherichia coli
ホスホエノールピルビン酸シンターゼ(<i>ppsA</i>)	
6-Phosphofructokinase (2.7.1.11)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
6-ホスホフルクトキナーゼ(<i>pfkA</i>)	<u>;</u>
-Phosphoglucomutase (5.4.2.6)	Lactococcus lactis

- ホスホグルコムターゼ	<u> </u>
Phosphoglucose isomerase (5.3.1.9)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
ホスホグルコースイソメラーゼ	
Phosphoglycerate dehydrogenese (1.1.1.95)	Corynebacterium glutamicum
3-ホスホグリセリン酸デヒドロゲナーゼ	
Phosphoglycerate mutase (5.4.2.11)	: ! Ľ ト
M 型ホスホグリセリン酸ムターゼ	
Phosphoglycerate mutase (5.4.2.11)	ラット
B 型ホスホグリセリン酸ムターゼ	
Phospholipase A ₂ (3.1.1.4)	Streptomyces violaceoruber
ホスホリパーゼ A₂	
Phospholipase D (3.1.4.4)	: :Streptomyces chromofuscus
ホスホリパーゼ D (PLD)	!
Phosphomannose isomerase (5.3.1.8)	Escherichia coli
ホスホマンノースイソメラーゼ(manA)	L.
Phosphopantetheinyltransferase	Escherichia coli
ホスホパンテテニルトランスフェラーゼ (entD)	
Phosphopentomutase (5.4.2.7)	Thermus thermophilus
ホスホペントムターゼ	<u>;</u>
Polynucleotide 5'-hydroxyl-kinase (2.7.1.78)	T4 phage
T4 ポリヌクレオチドキナーゼ	T4 ファージ
Polyphosphate kinase (2.7.4.1)	Ensifer meliloti (Sinorhizobium meliloti)
ポリリン酸キナーゼ (<i>ppk2</i>)	
Polyphosphate: AMP-phosphotransferase	Acinetobacter johnsonii
ポリリン酸:AMP-ホスホトランスフェラーゼ	
Proline-4-hydroxylase (1.14.11.1)	Dactylosporangium sp. RH1
L-プロリン-4-ヒドロキシラーゼ	
L-Proline cis-4-hydroxylase (1.14.11.56)	Ensifer meliloti (Sinorhizobium meliloti)
L-プロリン cis-4-ヒドロキシラーゼ	
Proline racemase (5.1.1.4)	Acetoanaerobium sticklandii (Clostridium sticklandii)
プロリンラセマーゼ	
Protease 3C (3.4.22.28)	Rhinovirus B14 (Human rhinovirus B14)
プロテアーゼ 3C	ライノウイルスB14
Protease PFUS (3.4.21)	Pyrococcus furiosus
プロテアーゼ PFUS	
Protein phosphatase 2A, A-subunit (3.1.3.16)	Ľ ト
プロテインホスファターゼ2A(PP2A) Aサブユニット	
Protein phosphatase 2A, C-subunit (3.1.3.16)	Ľ ト
プロテインホスファターゼ2A(PP2A) Cサブユニット	
Protocatechuate 3,4-dioxygenase chain, chain (1.13.11.3)	Acinetobacter baumannii
プロトカテク酸 3,4-ジオキシゲナーゼ(PCO)(鎖及び	
鎖)(pcaG, pcaH)	
Purine nucleoside phosphorylase (2.4.2.1)	Cellulomonas flavigena
プリンヌクレオシドホスホリラーゼ	
Purine nucleoside phosphorylase I (2.4.2.1)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
プリンヌクレオシドホスホリラーゼ I(punA)	
Pyranose oxidase (1.1.3.10)	Trametes versicolor (Coriolus versicolor)
ピラノースオキシダーゼ	カワラタケ
Pyrimidine nucleoside phosphorylase (2.4.2.3, 2.4.2.4)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
ピリミジンヌクレオシデホスホリラーゼ(<i>pyn</i>)	

Pyruvate decarboxylase (4.1.1.1)	Zymomonas mobilis
・ ピルビン酸デカルボキシラーゼ(<i>pdc</i>)	
Pyruvate kinase (2.7.1.40)	
ピルビン酸キナーゼ	
Pyruvate, orthophosphate dikinase (2.7.9.1)	Microbispora rosea
ピルベートオルソホスフェートジキナーゼ(PPDK)	, more stope of a research
RecA protein	Thermus aquaticus
RecA タンパク質(<i>recA</i>)	Thermus aquaticus
Restriction-Modification system	
制限-修飾系: 制限酵素及びそのメチラーゼ	
Site-specific deoxyribonuclease BamHI (3.1.21.4)	Bacillus amyloliquefaciens
制限酵素 BamHI	
Site-specific deoxyribonuclease BanIII (3.1.21.4)	Aneurinibacillus aneurinilyticus (Bacillus aneurinolyticus)
制限酵素 BanIII	
Site-specific deoxyribonuclease Fokl (3.1.21.4)	Planococcus okeanokoites (Flavobacterium okeanokoites,
	Planomicrobium okeanokoites)
制限酵素 Fokl	
Site-specific deoxyribonuclease HaeIII (3.1.21.4)	Haemophilus aegyptius
制限酵素 Haelll	
Site-specific deoxyribonuclease HincII (3.1.21.4)	Haemophilus influenzae
制限酵素 Hincll	
Site-specific deoxyribonuclease HindIII (3.1.21.4)	Haemophilus influenzae
制限酵素 HindIII	
Site-specific deoxyribonuclease Hinfl (3.1.21.4)	Haemophilus influenzae
制限酵素 Hinfl	
Site-specific deoxyribonuclease Hpal (3.1.21.4)	Haemophilus parainfluenzae
制限酵素 Hpal	i i
Site-specific deoxyribonuclease Mbol (3.1.21.4)	Moraxella bovis
制限酵素 Mbol	INIOI AXEIIA DOVIS
	Najagaria gaparrhagas
Site-specific deoxyribonuclease NgoMI (3.1.21.4)	Neisseria gonorrhoeae
制限酵素 NgoMI	14
Site-specific deoxyribonuclease NspV (3.1.21.4)	Nostoc sp. PCC 7524
制限酵素 NspV	
Site-specific deoxyribonuclease Pstl (3.1.21.4)	Providencia stuartii
制限酵素 Pstl	
Site-specific deoxyribonuclease Smal (3.1.21.4)	Serratia marcescens
制限酵素 Smal	
Site-specific DNA-methyltransferase BamHI (2.1.1.113)	Bacillus amyloliquefaciens
メチラーゼ BamHI	
Site-specific DNA-methyltransferase Fokl (2.1.1.72)	Planococcus okeanokoites (Flavobacterium okeanokoites,
	Planomicrobium okeanokoites)
メチラーゼ Fokl	
Site-specific DNA-methyltransferase HaeIII (2.1.1.37)	Haemophilus aegyptius
メチラーゼ HaeIII	
Site-specific DNA-methyltransferase HincII (2.1.1.72)	Haemophilus influenzae
メチラーゼ Hincll	
Site-specific DNA-methyltransferase HindIII (2.1.1.72)	Haemophilus influenzae
メチラーゼ HindIII	
Site-specific DNA-methyltransferase Hinfl (2.1.1.72)	: Haemophilus influenzae
メチラーゼ Hinfl	
	ı

Site-specific DNA-methyltransferase HpaI (2.1.1.72)	Haemophilus parainfluenzae
メチラーゼ Hpal	
Site-specific DNA-methyltransferase Mbol (2.1.1.72)	Moraxella bovis
メチラーゼ Mbol	
Site-specific DNA-methyltransferase NgoMI (2.1.1.37)	Neisseria gonorrhoeae
メチラーゼ NgoMI	
Site-specific DNA-methyltransferase NspV (2.1.1)	Nostoc sp. PCC 7524
メチラーゼ NspV	
Site-specific DNA-methyltransferase Pstl (2.1.1.72)	Providencia stuartii
メチラーゼ PstI	i revidencia cicariii
Site-specific DNA-methyltransferase Smal (2.1.1.113)	Serratia marcescens
メチラーゼ Smal	
Reverse transcriptase (2.7.7.49)	Moloney murine leukemia virus
リバーストランスクリプターゼ(逆転写酵素)	・ モロニーマウス白血病ウイルス (M-MuLV)
Ribonuclease T ₁ (4.6.1.24)	Aspergillus oryzae
リボヌクレアーゼ T ₁	, hopergrido dryzac
	TA phage
RNA ligase (6.5.1.3)	T4 phage
T4 RNA リガーゼ	T4 ファージ
RNA polymerase (2.7.7.6)	SP6 phage
SP6 RNA ポリメラーゼ	SP6 ファージ
RNA polymerase (2.7.7.6)	T7 phage
T7 RNA ポリメラーゼ	:T7 ファージ
RNA polymerase III subunit RPC155 (2.7.7.6)	E F
RNA ポリメラーゼ サブユニットRPC155	<u> </u>
Saponin-decomposing enzyme	Aspergillus oryzae
サポニン分解酵素(SDA)	
Saponin-decomposing enzyme	Penicillium brefeldianum (Eupenicillium brefeldianum)
サポニン分解酵素 (<i>sde</i>)	
Saponin-decomposing enzyme	Fusarium neocosmosporiellum (Neocosmospora vasinfecta)
サポニン分解酵素 (sdn)	
Sarcosine oxidase (1.5.3.1)	Arthrobacter globiformis
サルコシンオキシダーゼ	
Sarcosine oxidase (1.5.3.1)	Bacillus sp. KS-A11
サルコシンオキシダーゼ	
Secondary alcohol dehydrogenase (1.1.1.1)	Candida parapsilosis
2級アルコールデヒドロゲナーゼ	
Secondary alcohol dehydrogenase (1.1.1.1)	Rhodococcus erythropolis
2級アルコールデヒドロゲナーゼ	
Secretory KEX2 protease (3.4.21.61)	Saccharomyces cerevisiae
分泌型 KEX2 プロテアーゼ	
Serine hydroxymethylase (2.1.2.1)	Escherichia coli
セリンヒドロキシメチルトランスフェラーゼ(glyA)	
Serine operon (serA, serB, serC)	Bacillus amyloliquefaciens
セリン合成系酵素	
-2,3-SialyItransferase (2.4.99.4)	Photobacterium sp. JT-ISH-224
-2,3-シアリルトランスフェラーゼ	
-2,3-SialyItransferase (2.4.99.4)	Photobacterium phosphoreum
-2,3-シアリルトランスフェラーゼ	
-2,6-SialyItransferase (2.4.99.1)	Photobacterium sp. JT-ISH-224
-2,6-シアリルトランスフェラーゼ	

1 000001 (00000000000000000000000000000	I Direct of a state of an atomic to
-2,6-Sialyltransferase (2.4.99.1)	Photobacterium damselae
-2,6-シアリルトランスフェラーゼ	Dhatabastasiwa laisanathi
-2,6-Sialyltransferase (2.4.99.1)	Photobacterium leiognathi
-2,6-シアリルトランスフェラーゼ	<u>;</u>
-2,6-Sialyltransferase (2.4.99.1)	r F
-2,6-シアリルトランスフェラーゼ	<u> </u>
Sorbitol dehydrogenase (1.1.1.14)	Pseudomonas sp. KS-E1806
ソルビトールデヒドロゲナーゼ	<u> </u>
Succinyl-diaminopimelate desuccinylase (3.5.1.18)	Escherichia coli
リジン生合成酵素(<i>dapE</i>)	<u> </u>
Sucrose hydrolase (3.2.1.26)	Escherichia coli
スクロース加水分解酵素 (cscA)	!
Sucrose phosphorylase (2.4.1.7)	Leuconostoc mesenteroides
スクロースホスホリラーゼ	
Sucrose phosphorylase (2.4.1.7)	Streptococcus mutans
スクロースホスホリラーゼ	!
Tartrate-resistant acid phosphatase (3.1.3.2)	L F
酒石酸抵抗性酸性ホスファターゼ(TRAP)	
Terephthalate dihydrodiol dehydrogenase (1.3.1.53)	Comamonas testosteroni
テレフタル酸ジヒドロジオールデヒドロゲナーゼ(<i>tphB</i>)	
Terephthalate 1,2-dioxygenase oxygenase large subunit	Comamonas testosteroni
(1.14.12.15)	<u> </u>
テレフタル酸1,2-ジオキシゲナーゼオキシゲナーゼ大サブユ	
ニット (tphA2)	
Terephthalate 1,2-dioxygenase oxygenase small subunit	Comamonas testosteroni
(1.14.12.15)	•
テレフタル酸1,2-ジオキシゲナーゼオキシゲナーゼ小サブユ	
ニット (tphA3)	
Terephthalate 1,2-dioxygenase reductase (1.14.12.15)	Comamonas testosteroni
テレフタル酸1,2-ジオキシゲナーゼレダクターゼ(<i>tphA1</i>)	!
2,3,4,5-Tetrahydropyridine-2,6-dicarboxylate N-	Escherichia coli
succinyltransferase (2.3.1.117)	
リジン生合成酵素(dapD)	
Thioredoxin reductase (1.8.1.9)	Saccharomyces cerevisiae
チオレドキシンレダクターゼ	
Thioredoxin reductase (1.8.1.9)	Ľ ト
チオレドキシンレダクターゼ	
D-Threonine aldolase (4.1.2.42)	Achromobacter xylosoxidans
D-トレオニンアルドラーゼ	
L-Threonine 3-dehydrogenase (1.1.1.103)	Escherichia coli
L-トレオニン-3-デヒドロゲナーゼ (<i>tdh</i>)	
Topoisomerase I	<u>۲</u> ۲
トポイソメラーゼ I (<i>TOP</i> 1)	•
Transaldolase (2.2.1.2)	Escherichia coli
トランスアルドラーゼ(tal)	
Transketolase 1 (2.2.1.1)	Escherichia coli
トランスケトラーゼ(tktA)	
Tryptophanase (4.1.99.1)	Escherichia coli
トリプトファナーゼ	
Tryptophan operon (<i>trpA, trpB, trpC, trpD</i>)	Bacillus amyloliquefaciens

トリプトファンオペロン	:
Tryptophan operon (trpA, trpB, trpC, trpD, trpE)	Escherichia coli
Tryptoprian operion (<i>прА, прВ, прС, прВ, прЕ</i>) トリプトファンオペロン	Escrientina con
	Corunabactarium alutamiaum
Tryptophan operon (<i>trpA, trpB</i>) トリプトファン合成酵素群	Corynebacterium glutamicum
	Authoritoria de DOCO40
Tyramine oxidase (1.4.3.4)	Arthrobacter sp. P06240
チラミンオキシダーゼ	1
Thyroid peroxidase (1.11.1.8)	EF.
甲状腺ペルオキシダーゼ	Office the standard of the sta
-Tyrosinase (4.1.99.2)	Citrobacter intermedius
-チロシナーゼ(BTY)	
Tyrosinase (1.14.18.1)	Streptomyces antibioticus
チロシナーゼ	<u> </u>
Ubiquitin activating enzyme E1 (6.2.1.45)	E F
ユビキチン活性化酵素 (<i>UBE1</i>)	
Ubiquitin-conjugating enzyme E2 N (2.3.2.23)	L F
ユビキチン結合酵素 (<i>UBE2N</i>)	
Ubiquitin-conjugating enzyme E2 A (2.3.2.23)	r F
損傷DNA修復タンパク質 Rad6A(ユビキチン結合酵素 E2 A)	
Ubiquitin-conjugating enzyme E2 variant 1a	EF.
ユビキチン結合酵素 (UEV1a)	
E3 ubiquitin-protein ligase MYLIP (2.3.2.27)	L.F.
RING型E3ユビキチンリガーゼ (<i>MYLIP</i>)	
UDP-GlcNAc-pyrophosphorylase (2.7.7.23)	Escherichia coli
UDP-GlcNAcピロホスホリラーゼ(<i>glmU</i>)	
Urate synthesis enzymes (xdhg, xdha, xdhb, xdhd, xdhe,	Phyllobacterium sp. xsant-25
xdhq)	
尿酸合成酵素群	
Urease operon (<i>ureA</i> , <i>ureB</i> , <i>ureC</i> , <i>ureD</i> , <i>ureE</i> , <i>ureF</i> , <i>ureG</i>)	Klebsiella aerogenes
ウレアーゼオペロン	
XMP aminase (6.3.5.2)	Escherichia coli
XMP アミナーゼ	
Xylose isomerase (5.3.1.5)	Escherichia coli
キシロースイソメラーゼ(<i>xyIA</i>)	
Xylulokinase (2.7.1.17)	Escherichia coli
キシルロキナーゼ(<i>xyIB</i>)	
(2)機能性タンパク質、ペプチド	
A1*065:01	アカゲザル
 主要組織適合性抗原A1*065:01	
Aequorin	: :Aequorea forskalea (Aequorea aequorea)
エクオリン(発光タンパク質)	
-Amylase inhibitor	: Streptomyces nitrosporeus
アミラーゼインヒビター	
Amyloid protein	<u> </u>
アミロイドタンパク質(血清アミロイド P 成分)	; ;
Androgen receptor	L F
アンドロジェンレセプター (ステロイドホルモンの受容体タ	
ンパク質)	
Annexin A5	: : :
,	i_,

アネキシン A5	:
ATP binding cassette subfamily B member 1 (MDR1)	
ABCトランスポーター (ABCB1)	
` ´	イヌ
ATP binding cassette subfamily B member 11 (BSEP) ABCトランスポーター (<i>ABCB11</i>)	
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	L F
ATP binding cassette subfamily B member 11 (BSEP)	LF
ABCトランスポーター (ABCB11)	'= w L
ATP binding cassette subfamily B member 11 (Bsep) ABCトランスポーター (<i>Abcb11</i>)	ラット
`	
ATP binding cassette subfamily B member 1A (Mdr1a)	マウス
ABCトランスポーター (Abcb1a)	<u> </u>
ATP binding cassette subfamily B member 1B (Mdr1b)	マウス
ABCトランスポーター (Abcb1b)	<u> </u>
ATP binding cassette subfamily C member 1 (MRP1)	イヌ
ABCトランスポーター (ABCC1)	1
ATP binding cassette subfamily C member 1 (MRP1)	Ľ ト
ABCトランスポーター (ABCC1)	<u> </u>
ATP binding cassette subfamily C member 1 (Mrp1)	ラット
ABCトランスポーター (Abcc1)	<u> </u>
ATP binding cassette subfamily C member 2 (MRP2)	イヌ
ABCトランスポーター (ABCC2)	
ATP binding cassette subfamily C member 2 (MRP2)	カニクイザル
ABCトランスポーター (ABCC2)	
ATP binding cassette subfamily C member 2 (MRP2)	ヒト
ABCトランスポーター (ABCC2)	
ATP binding cassette subfamily C member 2 (Mrp2)	マウス
ABCトランスポーター (Abcc2)	!=1
ATP binding cassette subfamily C member 2 (Mrp2)	ラット
ABCトランスポーター (Abcc2)	1
ATP binding cassette subfamily C member 3 (MRP3)	ヒト
ABCトランスポーター (ABCC3)	1
ATP binding cassette subfamily C member 4 (MRP4)	Ľ F
ABCトランスポーター (ABCC4)	
ATP binding cassette subfamily C member 4 (Mrp4)	ラット
ABCトランスポーター (Abcc4)	
ATP binding cassette subfamily C member 11 (MRP8)	Ľ ト
ABCトランスポーター (ABCC11)	
ATP binding cassette subfamily G member 2 (BCRP)	Ľ F
ABCトランスポーター (ABCG2)	<u> </u>
ATP binding cassette subfamily G member 2 (Bcrp)	ラット
ABCトランスポーター(Abcg2)	ahara.
B gene	phage
Domit II control clament	ラムダファージ
BamHI control element	Bacillus amyloliquefaciens
転写活性化因子	<u> </u>
BF2*012:01	ニワトリ
主要組織適合性抗原BF2*012:01	
BF2*015:01	ニワトリ
主要組織適合性抗原BF2*015:01	<u> </u>
BP230	L F

000 1 D. 将工库依许压(DD000)	:
230 kDa類天疱瘡抗原(BP230)	Desillar therein signate
Bt toxin Cry4Aa, partial (amino acids positions 696-851)	Bacillus thuringiensis
Bt トキシンCry4Aa(<i>cry4Aa</i>)の部分配列	i I
C gene	phage ラムダファージ
Calmodulin	フムラファーシ ラット
カルモジュリン(Ca ²⁺ 輸送タンパク質)	<u> </u>
Calpastatin	t ト
カルパスタチン(プロテアーゼ阻害タンパク質)	Paraira sinanima 0 (POVO)
Capsid protein, partial (amino acids positions 118-233)	Porcine circovirus 2 (PCV2)
キャプシドタンパク質の部分配列	豚サーコウイルス2型
ccdB	F plasmid
(gyrase阻害タンパク質)	F プラスミド
Collagen alpha-1(V) chain	L F
Type V コラーゲン	1141
Collagen alpha-1(VII) chain	ヒト
Type VIIコラーゲン	; !ь!
C-reactive protein (CRP)	ヒト
C 反応性タンパク質 (肝臓で合成される血清タンパクの一種)	
A amendallia	<u>-</u> ウシ
A-crystallin	'')'
A-クリスタリン	는 ヒト
Cystatin A	; ;
シスタチンA(プロテアーゼインヒビター) Cystatin C	! 'Eト
シスタチンC	
Cystatin	; ;ラット
シスタチン (プロテアーゼインヒビター)	
Cytoplasmic -actin	: : Ľ ト
-アクチン	; C
<u> </u>	nhaga
D gene	phage ラムダファージ
Desmoglein 3	マウス
デスモグレイン 3 (<i>Dsg3</i>)	
DnaK protein	Escherichia coli
Dhar protein	L'acheriona con
DNA polymerase sliding clamp (Proliferating cell nuclear	Methanocaldococcus jannaschii
antigen homolog)	in the state of th
スライディングクランプ(PCNA)	
DNA polymerase sliding clamp 1 (Proliferating cell nuclear	Thermococcus kodakarensis
antigen homolog 1, PCNA 1)	1
スライディングクランプ(PCNA1)	
Double-stranded RNA-binding protein 4	<u>:</u> シロイヌナズナ
二本鎖RNA結合タンパク質DRB4 (DRB4)	
E gene	phage
- 30	こうしがファージ
Epidermal Fatty Acid Binding Protein	
上皮性脂肪酸結合タンパク質 (FABP5)	
Estrogen receptor	<u></u>
1-01.0801110000101	;—·

I	:
エストロジェンレセプター(ステロイドホルモンの受容体タン	/i
パク質)	<u> </u>
Fc-gamma RI, partial (amino acids positions 13-288)	K.F.
Fc 受容体I(Fc RI)の部分配列(可溶性領域)	
Fc-gamma RIIIa, partial (amino acids positions 16-192)	L F
Fc 受容体IIIA(Fc RIIIA)の部分配列 (可溶性領域)	
Ferritin	ウマ
フェリチン	
Ferritin light chain	L F
フェリチンL鎖(<i>FTL</i>)	
Fi gene	phage
	ラムダファージ
Fibroin heavy chain	カイコ
フィブロインH鎖	
Fibronectin, partial (amino acids positions 1450-1543)	L F
フィブロネクチンの部分配列(細胞接着ドメイン)	
Fibronectin, partial (GAAVTGRGDSPASAAGY sequence)	L F
フィブロネクチンの部分配列(細胞接着シグナル含有領域)	
Fibronectin, partial (SLRGDSA sequence)	L F
フィブロネクチンの部分配列(細胞接着シグナル)	
Fii gene	phage
	ラムダファージ
Fluorescent protein Azami-Green	アザミサンゴ
蛍光タンパク質 Azami-Green	
Fluorescent protein Kaede	ヒユサンゴ
蛍光タンパク質 Kaede	
Fluorescent protein KCy	
蛍光タンパク質 KCy	
Fluorescent protein Keima	コモンサンゴ
・ 蛍光タンパク質 Keima	
Fluorescent protein Kusabira-Orange	クサビライシ
・ 蛍光タンパク質 Kusabira-Orange	
Fluorescent protein Midoriishi-Cyan	ミドリイシ
蛍光タンパク質 Midoriishi-Cyan	
Fluorescent protein Momiji	
蛍光タンパク質 Momiji	
Fluorescent protein MR	コモンサンゴ
蛍光タンパク質 MR	
Fluorescent protein Tguv	
当光タンパク質 TGuv	
Fluorescent protein Umikinoko-Green	: :ウミキノコ
当社がある。	
宝元プラバッ質 Offictionの-Green Fucose-binding lectin	Aleuria aurantia
フコース結合性レクチン(AAL)	ヒイロチャワンタケ
Fucose lectin	Aspergillus oryzae
フコースレクチン	, reporginus oryzac
	Aequorea coerulescens
Green fluorescent protein GFP	Aequorea coerulescens オワンクラゲ
	;
Green fluorescent protein	Aequorea victoria オワンクラゲ
GFP	(A) /) /) · · · · · · · · · · · · · · ·

H-2D ^b	マウス
主要組織適合性抗原H-2D ^b	
H-2D ^d	マウス
主要組織適合性抗原H-2D ^d	
H-2D ^k	マウス
主要組織適合性抗原H-2D ^k	
H-2K ^b	マウス
上要組織適合性抗原H-2K ^b	
H-2K ^d	マウス
主要組織適合性抗原H-2K ^d	
H-2K ^k	マウス
主要組織適合性抗原H-2K ^k	
H-2L ^d	マウス
主要組織適合性抗原H-2L ^d	
HLA-A	L.
主要組織適合性抗原A	
HLA-B	L.
主要組織適合性抗原B	
HLA-Cw	L
主要組織適合性抗原Cw	
HLA-DRA1	ヒト
主要組織適合性抗原DRA1	
HLA-DRB1	ヒト
主要組織適合性抗原DRB1	
HLA-E	ヒト
主要組織適合性抗原E	
I gene	phage
	ラムダファージ
J gene	phage
	ラムダファージ
lacl repressor	Escherichia coli
lacl リプレッサー(Lactose operon Regulator gene)	
lacl q repressor	Escherichia coli
<i>lacl</i> ^q リプレッサー(Lactose operon Regulator gene)	
terminase A / A gene	phage
ターミナーゼ A	ラムダファージ
terminase Nu1 / nu1 gene	phage
ターミナーゼ Nu1	; phage :ラムダファージ
Leukemia inhibitory factor	マウス
白血病阻害因子(<i>Lif</i>)	
Iom gene	phage
John gono	: phage ラムダファージ
Mating factor -1	Saccharomyces cerevisiae
因子遺伝子	ouconaronnyoes cerevisiae
四丁堰仏丁 Methyl-CpG-binding protein MBD1, partial	
(amino acids positions 1-75)	
メチル化DNA結合タンパク質 MBD1の部分配列	
	L.F.
MHC class I-related protein 1 主要組織適合抗原クラスI関連分子 MR1	
工女組織炮口加尿ノノ人工財建刀丁 WIKI	<u> </u>

O Missandahudia	!
2-Microglobulin	ニワトリ
2-ミクログロブリン (B2M)	<u> </u>
2-Microglobulin	r F
2-ミクログロブリン(透析アミロイドーシスの原因物質)	1
37S ribosomal protein MRP17, mitochondrial	Saccharomyces cerevisiae
<i>MRP17</i> 遺伝子(ミトコンドリアリボソーム小サブユニット)	
mTOR, partial (amino acids positions 2025-2114)	ヒト
mTORの部分配列	
Myoglobin	L F
ミオグロビン(酸素結合タンパク質)	
N protein	cl857Sam phage
N タンパク質(転写ターミネーター)	ラムダ cl857Sam ファージ
NS4B	Hepatitis C virus (HCV)
C型肝炎ウイルス NS4B	C型肝炎ウイルス
nu3 gene	phage
	ラムダファージ
Nuclear factor NF-kappa-B p50 subunit, partial (amino acids	ヒト
positions 247-352)	
NF- B p50 サブユニット(NF B1)の部分配列	
Nuclear factor NF-kappa-B p65 subunit, partial (amino acids	Ľ F
positions 190-291)	
NF- B p65 サブユニット(RELA)の部分配列	
orf206b	; ; phage
	ラムダファージ
p53, partial (amino acids positions 1-70)	Ľ F
p53の部分配列	
Proliferating cell nuclear antigen (PCNA)	ヒト
增殖細胞核抗原(PCNA)	
Protein AaeX	Escherichia coli
AaeX タンパク質 (<i>aaeX</i>)	
Protocatechuate transporter (p-hydroxybenzoate transporter)	Pseudomonas putida
プロトカテク酸トランスポーター(p-ヒドロキシ安息香酸トラ	
ンスポーター)(pcaK)	
Pulmonary surfactant protein A2	L F
肺サーファクタントタンパク質 A2 (SP-A2)	
Sequestosome 1 / p62 , partial (amino acids positions 1-102)	Ľ F
セクエストソーム 1 / p62の部分配列	
Serum amyloid A	<u>;</u> : ヒト
・ 血清アミロイド A(SAA)	
Silk-elastin protein SELP8K(47K)	! :カイコ / ヒト / 化学合成
・ シルクエラスチンタンパク質 SELP8K(47K)	
Single-stranded DNA-binding protein	Thermus aquaticus
SSB タンパク質(ssb)(一本鎖DNA結合タンパク質)	,
Streptavidin	Streptomyces avidinii
ストレプトアビジン(sta)	, 2
46 kDa surface antigen , partial (amino acids positions 37-419)	: Mesomycoplasma hyopneumoniae (Mycoplasma
(3 (3 (3 (3	hyopneumoniae)
Ī	1. 3 - 1- 1 1 1 1 1 1
 p46膜タンパク質(<i>p46</i>)の部分配列	
p46膜タンパク質(<i>p46</i>)の部分配列 Synaptotagmin II (Syt2)	マウス

シナプトタグミン II	
Tamavidin 2	Pleurotus citrinopileatus (Pleurotus cornucopiae var.
	citrinopileatus)
タマビジン2	タモギタケ
HLA-A*02:01-restricted WT1 ₃₇₋₄₅ -specific T cell receptor	Ľ ト
(alpha, beta)	
HLA-A*02:01 拘束性human WT1由来抗原ペプチド	
VLDFAPPGA特異性TCR (鎖, 鎖)	
HLA-A*24:02-restricted PBF ₁₄₅₋₁₅₃ -specific T cell receptor	ヒト
(alpha, beta)	
HLA-A*24:02 拘束性human PBF由来抗原ペプチド	
AYRPVSRNI 特異性TCR (鎖, 鎖)	
HLA-A*24:02-restricted survivin 2B ₈₀₋₈₈ -specific T cell receptor	Ľ ト
(alpha, beta)	
HLA-A*24:02 拘束性human survivin2B由来抗原ペプチド	
AYACNTSTL特異性TCR (鎖, 鎖)	
Telomerase reverse transcriptase, partial (amino acids positions	ヒト
180-320)	
TERTの部分配列	
Temperature-sensitive cl-repressor	cl857Sam phage
温度感受性リプレッサーcl857	ラムダ cl857Sam ファージ
Terephthalate transporter	Rhodococcus jostii
テレフタル酸トランスポーター(<i>tpaK</i>)	
Thioredoxin (TRX)	ヒト
チオレドキシン(酵素の酸化還元に関与するタンパク質)	
Thioredoxin2	Saccharomyces cerevisiae
チオレドキシン2	
L-Threonine permease	Escherichia coli
L-スレオニンパーミアーゼ	
Transcription factor XyIS	TOL plasmid
転写因子 XyIS	TOL プラスミド
Transcriptional activator gene (nprA)	Geobacillus stearothermophilus (Bacillus stearothermophilus)
転写活性化因子	
Transferrin receptor	マウス
トランスフェリンレセプター (<i>Tfrc</i>)	
-Tubulin	ヒト
- チューブリン	
W gene	phage
	ラムダファージ
Z gene	phage
	ラムダファージ
ZZ-tag	Staphylococcus aureus
ZZ-tag (Protein AのZドメイン)	
(3)シグナルペプチド	
Albumin lysozyme signal peptide	ニワトリ
卵白リゾチーム由来分泌シグナルペプチド	
Alkaline phosphatase signal peptide	Escherichia coli
アルカリホスファターゼのシグナルペプチド	
Anthranilate synthase (trpE) signal peptide	Escherichia coli
アントラニル酸シンターゼ (<i>trpE</i>)のシグナルペプチド	

Aspergillopepsin I signal peptide	Aspergillus phoenicis (Aspergillus saitoi)
酸性プロテアーゼ (<i>pepA /apnS</i>)のシグナルペプチド	
Calreticulin signal peptide	ウシ
ー カルレティキュリン由来の分泌シグナルペプチド	
Cell surface protein (MWP) signal peptide	Brevibacillus brevis(Bacillus brevis)
細胞表層タンパク質(MWP)のシグナルペプチド	
Cell surface protein A (CspA) signal peptide	Corynebacterium ammoniagenes
細胞表層タンパク CspA シグナル配列	- Corynobacterium ammerinagenee
Cellobiohydrolase 1 (cbh1) signal peptide	Trichoderma viride (Hypocrea rufa)
chh1 (Cellobiohydrolase 1) 分泌シグナルペプチド	Triciloderina viride (Trypocrea ruia)
ER-retention signal (HDEL sequence)	Sacabaramyana narayinina
	Saccharomyces cerevisiae
小胞体残留シグナルHDEL	<u> </u>
ER-retention signal of calreticulin	ウシ
カルレティキュリン由来の小胞体残留シグナル	
-Lactamase (bla) signal peptide	Escherichia coli
-ラクタマーゼのシグナルペプチド	
Mating factor -1 signal peptide	Saccharomyces cerevisiae
接合因子 因子のシグナルペプチド	1 1 1
Mitochondrial targeting signal of cytochrome c oxidase subunit	Saccharomyces cerevisiae
IV	
Cytochrome c oxidase サブユニット IVのミトコンドリア移行	; ;
シグナル	
Nuclear localization signal	Simian virus 40
(DPKKKRKVDPKKKRKV)	
核局在化シグナル (nuc)	サルウイルス 40 (SV40)
Nuclear localization signal of poly(ADP-ribose) polymerase	Ľ F
ポリADPリボースポリメラーゼの核局在化シグナル	; ;
P22 protein signal peptide	Brevibacillus choshinensis
P22のシグナル配列	
Pectate Iyase B signal peptide	Pectobacterium carotovorum (Erwinia carotovora)
ペクチン酸リアーゼのシグナルペプチド	
PEST sequence of Ornithine decarboxylase	マウス
オルニチンデカルボキシラーゼのPESTペプチド	
Staphylococcal protein A signal peptide	: :Staphylococcus aureus
プロテインAのシグナル配列	!
Subtilisin signal peptide	Bacillus subtilis
ズブチリシンの分泌シグナルペプチド	
Surface layer protein (HWP) signal peptide	Brevibacillus choshinensis
HWPのシグナル配列	- Di extidacina circonniciolo - -
	Simian virus 40
SV40 poly(A) signal SV40 polyAシグナル	
	サルウイルス 40 (SV40)
Tyrosine-protein kinase LynA, partial (amino acids positions 1-	;/ שור
19)	
チロシンキナーゼ LynA 由来の部分配列(形質膜移行シグナ	
JV)	!
(4)機能性核酸	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
16S ribosomal RNA gene	Alicyclobacillus acidoterrestris
16S リボソームRNA	; ; ;
16S ribosomal RNA gene	Legionella pneumophila
16S リボソームRNA	

16S ribosomal RNA gene	Mycobacterium avium
16S リボソームRNA	
16S ribosomal RNA gene	Mycobacterium intracellulare
16S リボソームRNA	
16S ribosomal RNA gene	Mycobacterium tuberculosis var. bovis BCG (Mycobacterium
16S リボソームRNA	bovis BCG)
2 µ m STB gene	Saccharomyces cerevisiae (2 µ m plasmid)
Z p iii o i D gono	Caconaromycos coronolae (2 pm plasma)
3'-UTR sequence	Tobacco mosaic virus
(mRNAを安定化する配列)	タバコモザイクウイルス(TMV)
ARS1	Saccharomyces cerevisiae
(複製起点)	
AU-rich element (TTATTTATTの4回繰り返し配列) (ARE)	ヒト
(mRNA不安定化配列)	
ColE1 cer locus	CoIE1 plasmid
cer領域	ColE1 プラスミド
CTCF-binding region	チャイニーズハムスター
(遺伝子発現安定化配列)	
Enterokinase cleavage site	ヒト
 ヒトエンテロキナーゼ切断認識配列	
Internal ribosome entry site (IRES)	Encephalomyocarditis virus
配列内リボソーム進入部位	脳心筋炎ウイルス
Kozak sequence	化学合成
コザック配列	
Nitrilase transcription regulation region	Rhodococcus erythropolis
ニトリラーゼ転写調節遺伝子領域	
ori of 2 μ m DNA	Saccharomyces cerevisiae (2 µ m plasmid)
(2µm DNA 複製起点)	
REP3	Saccharomyces cerevisiae (2 µ m plasmid)
(2μ m DNA 由来のプラスミド安定化配列)	
SV40 origin of replication	Simian virus 40
SV40の複製起点	サルウイルス 40 (SV40)
T7 gene 10 leader sequence	T7 phage
T7ファージ gene 10 リーダー配列	T7 ファージ
sequence	Tobacco mosaic virus
(翻訳促進配列)	; ;タバコモザイクウイルス(TMV)
(5)マーカー	
Ampicillin resistance gene / -lactamase	Escherichia coli
アンピシリン耐性遺伝子	
attR1 sequence	phage
」 │(相同組換え認識配列)	ラムダファージ
attR2 sequence	phage
(相同組換え認識配列)	ラムダファージ
Blasticidin S deaminase	Aspergillus terreus
プラストサイジン S 耐性遺伝子	
Chloramphenicol resistance gene	: Staphylococcus aureus
クロラムフェニコール耐性遺伝子	
Chloramphenicol acetyltransferase	Escherichia coli (Bacterial transposon Tn9)
クロラムフェニコール耐性遺伝子 (<i>cat</i>)	(
Destomycin resistance gene	Streptomyces rimofaciens
1 - 55.5 7 5 1 55.5.tan 155 gonio	

 デストマイシン耐性遺伝子	:
Dihydrofolate reductase	マウス
ジヒドロ葉酸レダクターゼ(<i>Dhfr</i>)	
-Galactosidase	Escherichia coli
X-gal呈色マーカー(<i>lacZ</i>)	i
-Galactosidase	Escherichia coli
X-gal呈色マーカー(<i>lacZ'</i>)	Looking the second seco
Gentamicin 3-N-acetyltransferase (2.3.1.60)	Pseudomonas aeruginosa
ゲンタマイシン耐性遺伝子 AAC(3)-1	i soudomente del agricola
Hygromycin B phosphotransferase	Escherichia coli
ハイグロマイシン B 耐性遺伝子	
	Saccharomyces cerevisiae
AUR1	
オーレオバシジン A 耐性遺伝子(<i>AUR1</i>)	
Isopropylmalate dehydrogenase	Saccharomyces cerevisiae
LEU2 栄養要求性マーカー (-イソプロピルリンゴ酸デヒド	
ロゲナーゼ遺伝子)	
Kanamycin resistance gene	<i>Escherichia coli</i> (R6K plasmid, Bacterial transposon Tn <i>903</i>)
カナマイシン耐性遺伝子	
Kanamycin resistance gene	Klebsiella aerogenes (RK2 plasmid)
カナマイシン耐性遺伝子	
Kanamycin resistance gene	Klebsiella pneumoniae (Bacterial transposon Tn5)
カナマイシン耐性遺伝子	
Kanamycin resistance gene	; : <i>Pseudomonas aeruginosa</i> (R2 plasmid)
カナマイシン耐性遺伝子	
Neomycine resistance gene / Aminoglycoside 3'-	Klebsiella pneumoniae (Bacterial transposon Tn5)
phosphotransferase	
ネオマイシン耐性遺伝子	
Orotidine 5'-phosphate decarboxylase (4.1.1.23)	Trichoderma viride (Hypocrea rufa)
ウラシル合成遺伝子(オロチジン-5'-リン酸デカルボキシラー	
ゼ) (<i>pyr4</i>)	
Orotidine-5'-phosphate decarboxylase (Ura3)	Candida boidinii
ウラシル合成遺伝子	
	•
Orotidine-5'-phosphate decarboxylase (URA3)	Saccharomyces cerevisiae
Orotidine-5'-phosphate decarboxylase (URA3) ウラシル合成遺伝子(ウラシル要求性マーカー)	Saccharomyces cerevisiae
	Saccharomyces cerevisiae Klebsiella pneumoniae (Bacterial transposon Tn5)
ウラシル合成遺伝子 (ウラシル要求性マーカー)	
ウラシル合成遺伝子(ウラシル要求性マーカー) Phleomycin / Bleomycin resistance gene	
ウラシル合成遺伝子(ウラシル要求性マーカー) Phleomycin / Bleomycin resistance gene フレオマイシン / プレオマイシン耐性遺伝子	Klebsiella pneumoniae (Bacterial transposon Tn5)
ウラシル合成遺伝子(ウラシル要求性マーカー) Phleomycin / Bleomycin resistance gene フレオマイシン / プレオマイシン耐性遺伝子 Phleomycin resistance gene	Klebsiella pneumoniae (Bacterial transposon Tn5)
ウラシル合成遺伝子(ウラシル要求性マーカー) Phleomycin / Bleomycin resistance gene フレオマイシン / プレオマイシン耐性遺伝子 Phleomycin resistance gene フレオマイシン耐性遺伝子(<i>phl</i>)	Klebsiella pneumoniae (Bacterial transposon Tn5) Staphylococcus aureus
ウラシル合成遺伝子(ウラシル要求性マーカー) Phleomycin / Bleomycin resistance gene フレオマイシン / ブレオマイシン耐性遺伝子 Phleomycin resistance gene フレオマイシン耐性遺伝子(<i>phl</i>) Phosphoribosylanthranilate isomerase	Klebsiella pneumoniae (Bacterial transposon Tn5) Staphylococcus aureus
ウラシル合成遺伝子(ウラシル要求性マーカー) Phleomycin / Bleomycin resistance gene フレオマイシン / プレオマイシン耐性遺伝子 Phleomycin resistance gene フレオマイシン耐性遺伝子(phl) Phosphoribosylanthranilate isomerase トリプトファン要求性マーカー(TRP1)	Klebsiella pneumoniae (Bacterial transposon Tn5) Staphylococcus aureus Saccharomyces cerevisiae
ウラシル合成遺伝子(ウラシル要求性マーカー) Phleomycin / Bleomycin resistance gene フレオマイシン / プレオマイシン耐性遺伝子 Phleomycin resistance gene フレオマイシン耐性遺伝子(phl) Phosphoribosylanthranilate isomerase トリプトファン要求性マーカー(TRP1) Puromycin resistance gene / Puromycin N-acetyltransferase	Klebsiella pneumoniae (Bacterial transposon Tn5) Staphylococcus aureus Saccharomyces cerevisiae
ウラシル合成遺伝子(ウラシル要求性マーカー) Phleomycin / Bleomycin resistance gene フレオマイシン / ブレオマイシン耐性遺伝子 Phleomycin resistance gene フレオマイシン耐性遺伝子(phl) Phosphoribosylanthranilate isomerase トリプトファン要求性マーカー(TRP1) Puromycin resistance gene / Puromycin N-acetyltransferase ピューロマイシン耐性遺伝子(pac)	Klebsiella pneumoniae (Bacterial transposon Tn5) Staphylococcus aureus Saccharomyces cerevisiae Streptomyces alboniger
ウラシル合成遺伝子(ウラシル要求性マーカー) Phleomycin / Bleomycin resistance gene フレオマイシン / ブレオマイシン耐性遺伝子 Phleomycin resistance gene フレオマイシン耐性遺伝子(phl) Phosphoribosylanthranilate isomerase トリプトファン要求性マーカー(TRP1) Puromycin resistance gene / Puromycin N-acetyltransferase ピューロマイシン耐性遺伝子(pac) Tetracycline resistance protein TetA	Klebsiella pneumoniae (Bacterial transposon Tn5) Staphylococcus aureus Saccharomyces cerevisiae Streptomyces alboniger pSC101 plasmid
ウラシル合成遺伝子(ウラシル要求性マーカー) Phleomycin / Bleomycin resistance gene フレオマイシン / ブレオマイシン耐性遺伝子 Phleomycin resistance gene フレオマイシン耐性遺伝子(phl) Phosphoribosylanthranilate isomerase トリプトファン要求性マーカー(TRP1) Puromycin resistance gene / Puromycin N-acetyltransferase ピューロマイシン耐性遺伝子(pac) Tetracycline resistance protein TetA テトラサイクリン耐性遺伝子(tet)	Klebsiella pneumoniae (Bacterial transposon Tn5) Staphylococcus aureus Saccharomyces cerevisiae Streptomyces alboniger pSC101 plasmid pSC101 プラスミド
ウラシル合成遺伝子(ウラシル要求性マーカー) Phleomycin / Bleomycin resistance gene フレオマイシン / ブレオマイシン耐性遺伝子 Phleomycin resistance gene フレオマイシン耐性遺伝子(phl) Phosphoribosylanthranilate isomerase トリプトファン要求性マーカー(TRP1) Puromycin resistance gene / Puromycin N-acetyltransferase ピューロマイシン耐性遺伝子(pac) Tetracycline resistance protein TetA テトラサイクリン耐性遺伝子(tet) Tetracycline resistance gene	Klebsiella pneumoniae (Bacterial transposon Tn5) Staphylococcus aureus Saccharomyces cerevisiae Streptomyces alboniger pSC101 plasmid pSC101 プラスミド
ウラシル合成遺伝子(ウラシル要求性マーカー) Phleomycin / Bleomycin resistance gene フレオマイシン / ブレオマイシン耐性遺伝子 Phleomycin resistance gene フレオマイシン耐性遺伝子(phl) Phosphoribosylanthranilate isomerase トリプトファン要求性マーカー(TRP1) Puromycin resistance gene / Puromycin N-acetyltransferase ピューロマイシン耐性遺伝子(pac) Tetracycline resistance protein TetA テトラサイクリン耐性遺伝子(tet) Tetracycline resistance gene テトラサイクリン耐性遺伝子	Klebsiella pneumoniae (Bacterial transposon Tn5) Staphylococcus aureus Saccharomyces cerevisiae Streptomyces alboniger pSC101 plasmid pSC101 プラスミド Staphylococcus aureus

umu 遺伝子	
(6)タグ	
Avitag	化学合成
(BAP配列)	
Cysteine tag	化学合成
E-tag	化学合成
FLAG-tag	化学合成
FLP recombinase recognition seqence	Saccharomyces cerevisiae (2 µ m plasmid)
Flp リコンビナーゼ認識配列	
Glutathione S-transferase (2.5.1.18)	Schistosoma japonicum
グルタチオン S-トランスフェラーゼ(GST)	日本住血吸虫
Heparin binding domain of fibronectin	ヒト
ヘパリン結合ドメインポリペプチドの構造遺伝子	
His-tag	化学合成
T7-Tag	T7 phage
	T7 ファージ
Xpress epitope tag	化学合成

- (1) 別表における宿主、由来生物及び挿入DNAの表記は、UniProt 等生物学分野の公共データベース及び専門学会等が推奨する文献情報を参照している。
- (2) 別表第二の挿入DNAは、対応する右欄の由来に限定される。
- (3) 別表第一の宿主における株名記載がない宿主、「Bacillus subtilis Marburg 168 及びその由来株」、「Escherichia coli B及びその由来株」及び「Escherichia coli K12 及びその由来株」は、病原性及び毒素産生性のない株に限るものとする。
- (4) 別表第一のベクターは、生物多様性影響及び人の健康に対する影響の可能性が認められないプロモーター、ターミネーター、エンハンサー、リンカー、アダプター、クローニングサイト、スペーサー、オペレーター及びシャイン・ダルガーノ配列等の挿入、欠失又は変異導入処理によって改造されたものであっても別表第一のベクターと同等のものとして扱うものとし、また、別表第一のベクターに存在する耐性マーカー等の欠失又は変異導入処理によって改造されたものであっても同等なものとして扱うものとする。

ただし、当該改造によって水平伝播を生じさせるおそれがある場合は、この限りではない。

(5) 別表第二の挿入DNAは、当該挿入DNAの一部が改造されたものであっても、産生される物質の機能上の基本的性質に著しい変化が認められない場合は、別表第二の挿入DNAと同等なものとして扱うものとする。

また、別表第二の挿入DNAは、当該挿入DNAの一部のDNAを使用したものであっても、別表第二の挿入DNAと同等なものとして扱うものとする。

ただし、別表第二のDNAの全長あるいは一部を複数組み合わせて使用したものにおいて、使用したそれぞれのDNAが有する機能と著しく異なる機能が加わる場合は、別表第二の挿入DNAに含まれないものとする。

- (6) 別表第二の挿入DNAが化学的に合成されたDNAであっても、生物由来のDNAと同等 なものとして扱うものとする。
- (7) 転写や翻訳、複製に関する機能を有しない配列(リンカー、アダプター、クローニングサイト、スペーサー等)及び転写や翻訳、複製に関する機能を有するがアミノ酸配列に翻訳されない塩基配列(プロモーター、ターミネーター、エンハンサー、オペレーター、シャイン・ダルガーノ配列等)は、生物多様性影響及び人の健康に対する影響を考慮した場合、その影響の可能性が認められないと判断されることから、安全性評価の対象としないものとし、別表第二の挿入DNAに記載しないものとする。
- (8) 別表第一の宿主・ベクターに別表第二の挿入DNAを組み合わせて構成された遺伝子組換え微生物は、最新の科学的知見によって、生物多様性影響又は人の健康に対する影響が認められる場合は、第一条のGILSP遺伝子組換え微生物に含まれないものとする。(法第13条第1項に基づく大臣確認が必要となる。)
- (9) この別表は、最新の科学的知見によって見直し、追加又は削減する場合がある。